

ASK2J00176_PRKN_T240M_A02_BB
15,246 bp

5'

3'

TTTTTCTTGTAATTTGTTTGAGTTCATTATAGATTCTGGATATTAGCCCTTTGTCAGATGAGTAGGTTGCGAAAAATTTCTCCC

AAAAAGAACATTTAAACAAACTCAAGTAATATCTAAGACCTATAATCGGGAAACAGTCTACTCATCCAACGCTTTTAAAGAGGG

85

PRKN

PRKN-202

ATGTTGTAGGTTGCTTCACTCTGATGGTAGTTTCTTTTGTCTGTGCAGAAGCTCTTTAGTTTAATTAGATCCCATTTGTCAAT

TACAACATCCAACGGACAAGTGAGACTACCATCAAAGAAAACGACACGTCTTCGAGAAATCAAATTAATCTAGGGTAAACAGTTA

170

PRKN

PRKN-202

TTTGTCTTTTGTGTCATTGCTTTTGGTGTTTTGGACATGAAGTCCTTGCCACGCTATGTCCTGAATAGTAATGCCTAGGTTT

AAACAGAAAACAACGGTAACGAAAACACAAAACCTGTACTTCAGGAACGGGTGCGGATACAGGACTTATCATTACGGATCCAAA

255

PRKN

PRKN-202

TCTTCTAGGGTTTTTATGGTTTTAGGTTTAACTTTAAATCTTTAATCCATCTTGAATTGATTTTTGTATAAGGTGTAAGGAAGG

AGAAGATCCCAAAAATACCAAAATCCAAATTGCAAATTTAGAAATTAGGTAGAACTTAACTAAAAACATATTCCACATTCCTTCC

340

PRKN

PRKN-202

GATCCAGTTTCAGCTTCTACATATGGCTAGCCAGTTTTCCAGCACCATTTATTAATAGGGAATCCTTTCCCATTTGCTTGT

CTAGGTCAAAGTCGAAAGATGTATACCGATCGGTCAAAGGGTCGTGGTAAATAATTTATCCCTTAGGAAAGGGGTAACGAACAA

425

PRKN

PRKN-202

TTTCTCAGGTTTGTCAAAGATCAGATAGTTGTAGATATGCGGCATTATTTCTGAGGGCTCTGTTCTGTTCCATTGATCTATATCT

AAAGAGTCCAAACAGTTTCTAGTCTATCAACATCTATACGCCGTAATAAAGACTCCCGAGACAAGACAAGGTAAGTATAGATATAGA

510

PRKN

PRKN-202

CTGTTTTGGTACCAGTACCATGCTGTTTTGGTTACTGTAGCCTTGTAGTATAGTTTGAAGTCAGGTAGTGTGATGCCTCCAGCTT

GACAAAACCATGGTCATGGTACGACAAAACCAATGACATCGGAACATCATATCAAACCTTCAGTCCATCACACTACGGAGGTCGAA

595

PRKN

PRKN-202

TGTTCTTTTGGCTTAGGATTGACTTGGCAATGCGGGCTCTTTTTTGGTTCCATATGAACTTTAAAGTAGTTTTTTCCAATTCTGT

ACAAGAAAACCGAATCCTAACTGAACCGTTACGCCGAGAAAAACCAAGGTATACTTGAAATTTTCATCAAAAAAGGTTAAGACA

680

PRKN

PRKN-202

GAAGAAAGTCATTGGTAGCTTGATGGGGATGGCATTGAATCTGTAAATTACCTTGGGCAGTATGGCCATTTTACGATATTGATT

CTTCTTTTCAAGTAAACCATCGAACTACCCCTACCGTAACTTAGACATTTAATGGAACCCGTCATACCGGTAAAAAGTGCTATAACTAA

765

PRKN

PRKN-202

CTTCCTACCCATGAGCATGGAATGTTCTTCCATTTGTTTGTCTCCTCTTTTATTTCTTTGAGCAGTGGGCAAACCTTTTATTTTA

GAAGGATGGGTACTCGTACCTTACAAGAAGGTAAACAAAACAGAGGAGAAAAATAAAGGAACTCGTCACCCGTTTGGAAAAATAAAT

850

PRKN

PRKN-202

CTTTTCAGGAATCACTTTTAAACATCTTCTTTAACAATCTCCCTTTTGCTCTTAAAGTTATAAACATCAAATTATGGCTGAGTGGC
GAAAAGTCCTTAGTGAAAATTGTAGAAGAAAATTGTTAGAGGGGAAAACGAGAATTTCAATATTTGTAGTTTAATACCGACTCACCG

935

PRKN

PRKN-202

ATTACACCTGGAATAAACTTCAAGGCACACTGAAGAACTTACAATCAGGCAGAGAAGGGGCGGATGTGGGTTGTTATATTAGCCA
TAATGTGGACCTTATTTGAAGTTCGGTGTGACTTCTTGAATGTTAGTCCGTCTCTTCCCCGCTACACCCAACAATATAATCGGT

1020

PRKN

PRKN-202

ACTTTTGTTTTAAAGTTAGACTTCTTGAAGACATGTACCATAAACTGACAGCCTCCTTCTCAGCAAAGTTGTGACATGGTTTTGCT
TGAAAACAAAATTCAATCTGAAGAACTTCTGTACATGGTATTTGACTGTGCGAGGAAGAGTCGTTTCAACACTGTACCAAAACGA

1105

PRKN

PRKN-202

TTGTGTGGAGTATATTGATTTTCTTCTCCTGATAAACTTTGCACATCATCTAGAGGCTTTATTGACATCTTGAGAGAAAAACAAA
AACACACCTCATATAACTAAAAGAAAGAGGACTATTTGAAACGTGTAGTAGATCTCCGAAATAACTGTAGAACTCTCTTTTGT

1190

PRKN

PRKN-202

CTTGTAATTGAACATGGTGATAGACTCATTAACTTTTTAGGTCTGATCTGTTTGACTAGGTGTAACCTTAATTGTAAAACCTGGCAT
GAACATTAACCTTGTACCACATCTGAGTAATTGAAAAATCCAGACTAGACAAACTGATCCACATTGAATTAACATTTTGACCGTA

1275

PRKN

PRKN-202

TGTTAATTTAACAAAGTGACATTTATTATATAGTCCCTCCAGTTTGCATAGTTACTTTGTATCAGAACTGATAAATTCAGTTACT
ACAATTAATTTGTTTACATGTAAATAATATATCAGGAGGTCAAACGTATCAATGAAACATAGTCTTGACTATTTAAGTCAATGA

1360

PRKN

PRKN-202

GGGTTTATGTAATACCCAGTAAGTCGAACACTTCAGTATGAAGGCTAAGACACAATAAAGAAGTCACAAGATAAACAGGCTTTGC
CCCAAATACATTATGGGTCATTCAGCTTGTGAAGTCATACTCCGATTCTGTGTTATTTCTCAGTGTTCTATTTGTCCGAAACG

1445

PRKN

PRKN-202

CATGGCTATTTTAAAGGCTTTTTTTATGTATTAGGTAGAGAATGTTGTGGTTATGCTTTATCTGGCATTTTTTGGTTTTGTTTTG
GTACCGATAAAATTTCCGAAAAAATACATAATCCATCTCTTACAACACCAATACGAAATAGACCGTAAAAAACCAAAACAAAAAC

1530

PRKN

PRKN-202

TGGAGTTTCTGTTTGTTTTTAAAGACAGGGTCTTGCTATGTTGCCCTTGCTGGTCTCAAATTCCTGGGCTCAAGCGATCCTCCTG
ACCTCAAAGACAAAACAAAAATTTCTGTCCGAGAACGATACAACGGGAACGACCAGAGTTTAAGGACCCGAGTTCGCTAGGAGGAC

1615

PRKN

PRKN-202

CCTCAGCCTCCCAAATAGCTGGGACAATGGGTGTGTTCCACCCTACCCAGCTGACATGTTTTAACTTAAAGAAAATTTAAACTTT
GGAGTCGGAGGGTTTATCGACCCTGTTACCCACACAAGGTGGGATGGGTGACTGTACAAAATTGAATTTCTTTAATTTTGGAAA

1700

PRKN

PRKN-202

ATTATTAAGATTAATAATGAAACCTCTGCATGGATAGGAAGACTTAAAACTAGTAGTTGTGTCTTAGAAAAGAATCTGTATCTCA
TAATAATTCTAATTATTACTTTGGAGACGTACCTATCCTTCTGAATTTTGTATCATCAACACAGAATCTTTTCTTAGACATAGAGT

1785

PRKN

PRKN-202

CTAACGAGGAACTATTCTAGCCTGGACAGTTTCTGAGGAGAGAGTAAGTGGGGAATATCTGTTGCTGTTAGCTACAAACAGGATT
GATTGCTCCTTGATAAGATCGGACCTGTCAAAGACTCCTCTCTCATTGACCCCTTATAGACAACGACAATCGATGTTTGTCTCTAA

1870

PRKN

PRKN-202

TTAGGTTTGTGAGAGGCATTTAGATTGATTTGAAGTGACAGGCTGTCTGTCTTAACCTGGTAAGTGTGAGAATCTTTCTGATATA
AATCCAAACACTCTCCGTAAATCTAACTAACTTCACTGTCCGACAGACAGAATTGAACCATTGACACTCTTAGAAAGACTATAT

1955

PRKN

PRKN-202

GATGTAAGATACTTATTACGAGTTCATCTCATAAGCAGTAACCACAGCCCTGTATCCTGTTAATATCATCGGAAAATTTGGATGG
CTACATTCTATGAATAATGCTCAAGTAGAGTATTCGTCAATTGGTGTCTGGGACATAGGACAATTATAGTAGCCTTTTAAACCTACC

2040

PRKN

PRKN-202

ATAGTCTTTTGACGAGTATAGTTGAGTTTAATCTCAATATACAATGTATATTTGTGTGAGTATTTCTGTATCTTCAATACATATT
TATCAGAAAACCTGCTCATATCAACTCAAATAGAGTTATATGTTACATATAAACACACTCATAAAGACATAGAAGTTATGTATAA

2125

PRKN

PRKN-202

TCACAACAATATCTGAATGTGTATTTTTGTTTTAGTGGAGGCTGATTAGAATGTGTCACCACTAACAAAGGGTGACACTTGGAG
AGTGTTGTTATAGACTTACACATAAAAAACAAAAATCACCTCCGACTAATCTTACACAGTGGTGATTGTTTCCCACTGTGAACCTC

2210

PRKN

PRKN-202

AATTTTGATCTCACACAGGGTCCACCTCGTGGTGGTGCAGCAGTCATCTGCTGGTGGCTTTTCCAGACCCAAGCCACCTTTTCCCCC
TTAAAACCTAGAGTGTGTCCAGGTGGAGCACCACCACGTCGTACAGTAGACGACCACCGAAAGTCTGGGTTCGGTGGAAAAGGGGG

2295

PRKN

PRKN-202

TCTCTGCTCTGTAAGTTGGGGCTGTTTCTGGAGATGGGAGGGCCAAGAGAAGGCAGAAGCCAGGGGCATTTCTCCCTCTCTCTCT
AGAGACGAGACATTCAACCCCGACAAAGACCTCTACCCCTCCCGTTCTCTTCCGTCTTCCGTCCCGTAAAGAGGGGAGAGAGAGA

2380

PRKN

PRKN-202

AGGGGACATCTCTGGCAGTGGCTTCATCCCATTCATTGTCAGACTCCCAACCAGATAGCCCAGCTGCAGAGCTGTGGTGACTCCA
TCCCTGTAGAGACCGTCAACGAAGTAGGGTAAGTAACAGTCTGAGGGTTGGTCTATCGGGTGCAGCTCTCGACACCACTGAGGT

2465

PRKN

PRKN-202

ATACCTTCTCCCATTTGTCCTCTAGCCCCAGATGGCAGCTGTGCAATAATGACGCTAATCTCAAGTGGCTTCCCTTTCTCTGTTTAG
TATGGAAGAGGGTAACAGGAGATCGGGGTCTACCGTCGACACGTTATTACTGCGATTAGAGTTCACCGAAGGAAAAGAGACAAATC

2550

PRKN

PRKN-202

TTCTTCTGTGCTTCCACTCCTCTATAACTAATCTCATTCAATTCCGTCAGTTGAACTACCTGGTGTGGGCCCTGTTTTTCCTAACT
AAGAAGACACGAAGGTGAGGAGATATTGATTAGAGTAAGTTAAGGCAGTCAACTTGATGGACCACACCCGGGACAAAAAGGATTGA

2635

PRKN

PRKN-202

ATACCCTGAGCCATGCAAATAGCTATGCAGTTACGTGTTAAGTACAAACCTTATACCCTTTGCAACCTTGTAGTGGAAAGTGTG
TATGGGACTCGGTACGTTTATCGATACGTCAATGCACAATTCATGTTTGGGATATGGGAAACGTTGGAACAATCACCTTTCACAC

2720

PRKN

PRKN-202

TGTCCCCATTACTTTATCAAGAGAAGGATAGTTTTTTTTTCTTTTGGGAAATATTAACCTAAGAAGGATTTGGAGACAAGAATGGA
ACAGGGGTAAATGAAATAGTTCTCTTCTATCAAAAAAAAAAGAAAACCTTTATAATTGATTCTTCTAAACCTCTGTTCTTACCT

2805

PRKN

PRKN-202

ATTTAACTCTTTGTGAAGATAGATACAATATTTTCGTTTGGAAAACATAATTGTTAAACAATATCTATAAACATAAAAATTTAGGAT
TAAATTGAGAAACACTTCTATCTATGTTATAAAGCAAACCTTTTGTATTAACAATTTGTTATAGATATTTGTATTTTAAATCCTA

2890

PRKN

PRKN-202

GTTCAATAAAAAGCTATTGGAAGGATCATGGGTAACCTAAGTCAGGTCTTACTGCTAATGATTTTTTTCAGATTTGACCATATTAGGA
CAAGTTATTTTTCGATAACCTTCTTAGTACCCATTGATTCAGTCCAGAATGACGATTAATAAAAAGTCTAAACTGGTATAATCCT

2975

PRKN

PRKN-202

CTGTGATAAGCAGGGCTTTCAAGCCAGTTGTCATCTACCTTTATAGTAATTTGAAATCTATCAAATTGTATTTGGGTTTGGCTAA
GACACTATTCGTCCCAGAAAGTTCGGTCAACAGTAGATGGAAATATCATTAAACTTTAGATAGTTTAAACATAAACCCAAACCGATT

3060

PRKN

PRKN-202

TTCGCTTCTGATCGTAAATGTGTTTATACAGTTGGATTCTTGGTGTCAATCTAATTTTCAGATTTTGCTGGGCTATTTATTCCAT
AAGCGAAGACTAGCATTTACACAAATATGTCAACCTAAGAACCACAGTTAGATTAAGTCTAAAACGACCCGATAAATAAGGTA

3145

PRKN

PRKN-202

TCTTCTTGCTCTAGTTTTTCTCTTTGTGAGTGCCACTGCTTATGAGTCATGGGTGAAGGGACATAAGTGAGCAGGAGTGGCTTCC
AGAAGAACGAGATCAAAAGGAGAAACACTCACCGTGACGAATACTCAGTACCCACTTCCCTGTATTCCTCCTCACCAGG

3230

PRKN

PRKN-202

AGGAATACCACAGTCCAGTTGACATCTTCTGCTCTTCTCCCCTGGTCCCCTTTGATTTGTATGGGTCTGATGTGATTTGGAGG
TCCTTATGGTGTCAAGTCAACTGTAGAAGGACGAGAAGAGGGGACAGGGGGAAACTAAACATACCCAGACTACACTAAACCTCC

3315

PRKN

PRKN-202

GTCAGGCTTCGACAGTGAGGAGGAGAGGGCAAGTGAGTTATGATGAAAGAGAAGAATGGAAGGAAGGGATCACAGCCTTGTCCAG
CAGTCCGAAGCTGTCACTCCTCCTCTCCCGTTCACTCAATACTACTTTCTTCTTACCTTCCCTTAGTGTCCGAAACAGGTC

3400

PRKN

PRKN-202

AGAAATGGTAAAAGCATGAGTAGCCTTTCTAAGAACTTGAGGAATACAACCTTTGTTGGGTTTTCCATTTAATACTAATGAAGTGG
TCTTTACCATTTTCGTA CT CATCGGAAAGATTCTTGAACCTCTTATGTTGAAACAACCCAAAAGGTAAATTATGATTACTTCACC

3485

PRKN

PRKN-202

AAAACGGTCCGGGCGCAGTGGCTCTTGCCTGTTTTCCAGCACTTTGAAAGGCTGAGGTGGGTGGATCACTTGAGGTCAGGAACT
TTTTGCCAGGCCCGCGTCAACGAGAACGGACAAAAGGGTCGTGAAACTTTCCGACTCCACCCACCTAGTGAACCTCCAGTCTTGA

3570

PRKN

PRKN-202

CGAGACCAGCCTGGCCAACATGGTAAAACCTTCATCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCCAGGCATGGTGGCACACACCTATGA
GCTCTGGTCGGACCGGTTGTACCATTTTGAAGTAGAGATGATTTTTATGTTTTTAATCGGTCCGTACCACCGTGTGTGGATACT

3655

PRKN

PRKN-202

TCCCAGCTATTCAGGAGGCTGAGACATGAGATTTGCTTGAACCTGGGAGGCGTAGGTTGCAGTAAGCCAAGATCGTGCCACTGCA
AGGGTCGATAAGTCCTCCGACTCTGTACTCTAAACGAACTTTGACCTCCGCATCCAACGTCATTCGGTTCTAGCACGGTGACGT

3740

PRKN

PRKN-202

TTCCAGCCTGGGTTACAGGGGGAGACCGTGTCTCAAAAAATAAATAAAGTTGAAAACGCTTATGGCATTTAACAGTGTCACAAT
AAGGTCGGACCCAATGTCCCCCTCTGGCACAGAGTTTTTTTTATTTATTTCAACTTTTGCGAATACCGTAAATTGTCACAGTGTTA

3825

PRKN

PRKN-202

ATAAAGCCAAGCACATTTTCTAAAGCCTTATTTTTTTCAAGTATAAAATCATTTAGGCTATCATTTGGAAAAACAAAAACAAAA
TATTTTCGGTTCGTGTAAAAGATTTTCGGAATAAAAAAAGTTTCATATTTAGTAAATCCGATAGTAAACCTTTTTGTTTTGTTTTT

3910

PRKN

PRKN-202

ACTGGCCATTTGCTGTTATAGATTTTAGCTCTCTTCGCTAATTAAGGTTTCCCAGAAGTGACTATTGGTATACAAATGATGTGAG
TGACCGGTAAACGACAATATCTAAAATCGAGAGAAGCGATTAATTCAAAGGGTCTTCACTGATAACCATATGTTTACTACTC

3995

PRKN

PRKN-202

TAAGCCCCTGGGAATTATAGCTCCTGGTTAGGTGGGGGAATCTTTCTGTAGCTGATTTATCTGTGAACTACCATTTGTAAGAGGT
ATTCGGGGACCTTAATATCGAGGACCAATCCACCCCTTAGAAAGACATCGACTAAATAGACTTTGATGGTAAACATTCTCCA

4080

PRKN

PRKN-202

GGGGTGGGCCGCTCTGAGACTCAGTTTACCCGCCGTAAAAGGATTCTGTTCCAGCCACACTAGAATTGACAGCTGGGCTTCCTGAT
CCCCACCCGGCGAGACTCTGAGTCAAATGGGCGGCATTTCTAAGACAAGGTCGGTGTGATCTTAACTGTGACCCGAAGGACTA

4165

PRKN

PRKN-202

GAAGAGGACTGCCCCGGCTGCTCCCCAGAATACTCTGCTTCCCTAGTGACCGAGAAGCAACTTCCCCGGCCAACCCCTGCACA
CTTCTCCTGTGACGGGCCGACGAGGGGGTCTTATGAGACGAAGGGATCACTGGCTCTTCGTTGAAGGGGGCCGGTTGGGGACGTGT

4250

PRKN

PRKN-202

CGCTAGAAGTCAAACAATGCCACCTTGAGCAGCCTTGCCCTCAGGCATAACCAGTGTGCTCAGCACAGCTGGAGATGTTTCTTGG
GCGATCTTGAGTTTGTACGGTGGAAGTCTGTCGGAACGGAGTCCGTATTGGTGACAGCGAGTCTGTGTCGACCTCTACAAAGAACC

4335

PRKN

PRKN-202

CCACTTGGCTTGGGCCCTGCTATGCCCCAGTGACCTCACAGTGGTGCAGTGGTGCCAGCCTTCTGACCAGCCTTCTTGGACTCCA
GGTGAACCGAACC CGGGACGATACGGGGTCACTGGAGTGTCAACCACGTCAACCACGGTCGGAAGACTGGTCGGAAGAACCTGAGGT

4420

PRKN

PRKN-202

GCTAGAAAGCTTTCCTGTCTTTGACTTTTTTAATTTTTTAAACTGAGTAATTAAGAGAAACAAAACAGAATTCAGAGGCAGTTAA
CGATCTTTCGAAAGGACAGAAACTGAAAAAATTAATAAATTTGACTCATTAATTCTCTTTGTTTTGTCTTAAGTCTCCGTC AATT

4505

PRKN

PRKN-202

TCCCAAAGAATCATGCCACTGTCTGTGAGATGACACCCATGTGTGAACAAGCCATCTCAGACACCCAAGGTGGAAATTTTCGAAAA
AGGGTTTCTTAGTACGGTGACAGACACTCTACTGTGGGTACACACTTGTTCGGTAGAGTCTGTGGGTTCACCTTAAAAGCTTTT

4590

PRKN

PRKN-202

AGGCCCTTCTCACTTCTATTGTGTGTTCCCTTTATTGTCTGCTGGTTTTGAATACAGATTGGAAGTGTGAGAAAAGACTTCAACAA
TCCGGGAAGAGTGAAGATAACACACAAGGAAATAACAGACGACCAAACTTATGTCTAACCTTCACAGTCTTTTCTGAAGTTGTT

4675

PRKN

PRKN-202

TCCAGCCCACTGATTGTACAGGAGCAGAAATGACCAGATCGGCCGGGCACAGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
AGGTTCGGGTGACTAACATGTCCTCGTCTTTACTGGTCTAGCCGGCCCGTGTCAACGAGTGTGGACATTAGGGTCTGTAACCCCTC

4760

PRKN

PRKN-202

GCCGAGGCCGGTGGATCACCTGAGGTCTGGAGTTTGACATCAGCTGATTAACATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATATAAA
CGGCTCCGGCCACCTAGTGGACTCCAGACCTCAAACCTGTAGTCGACTAATTGTACCACTTTGGGGTAGAGATGATTTTTATATTT

4845

PRKN

PRKN-202

AAATTGGTTGGGCATGGTGGCACATGCCTGTAATCCCAGCTATTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATTAATTGAACTGGGAGGCA
TTTAACCAACCCGTACCACCGTGTACGGACATTAGGGTGCATAAGCCCTCCGACTCCGTCTCTTAATGAACCTGGACCCCTCCGT

4930

PRKN

PRKN-202

GAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCGCACCATTGCACTACAACCTGGGGCAAAAAGAGCAAAACTCCCATCTCAAAAAAATAAAAAAAA
CTCCAACGTCACTCGGTTCTAGCGTGGTAACGTGATGTTGAACCCGTTTTTCTCGTTTTGAGGGTAGAGTTTTTTTTATTTTTATTT

5015

PRKN

PRKN-202

ATAAAATAAAATAAAATAACAATAAAATAAAATAACAATAAAATAAACTGCAAAATAGCCTGCAAGAAAAGGTGTTATTATTGAGAAG
TATTTTTATTTTTATTTTTATGTTATTTTTATTTTTATGTTATTTTTATTGACGTTTAATCGGACGTTCTTTTTCCACAATAATAACTCTTC

5100

PRKN

PRKN-202

CAATTCTCCATGGGTCTGTCATTTGTCCGCTCATCTCTGAGGGAGACACCAACTTGTCTGACCCATCTTTTCAAGGAAGTTTTA
GTTAAGAGGTACCCAGACAGTAAACAGGCAGTAGAGACTCCCTCTGTGGTTGAACAAGACTGGGTAGAAAAAGTTCCTTCAAAAT

5185

PRKN

PRKN-202

GAGCAAATGACCTTGAAAGTAGAGAAGATAGGGCCGGGCGTGGTGGCTCACACCTGTACAATCCCAACACTTTGGGAGGCCAAGG
CTCGTTTACTGGAACCTTTCATCTCTTCTATCCCAGCCCGCACCACCGAGTGTGGACATGTTAGGGTTGTGAAACCCTCCGGTTCC

5270

PRKN

PRKN-202

TGGGCAGATCACGAGGTCAGGAGATTGAGACCATCCTGGCTAACATGGTGAACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAAAGTAGC
ACCCGTCTAGTGCTCCAGTCCCTCTAACTCTGGTAGGACCGATTGTACCACCTTTGGGGCAGAGATGATTTTTATGTTTTTTCATCG

5355

PRKN

PRKN-202

CGGGCGTGGTGGCGGGCGCCTTGTGGTCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGGTGGAGCTTG
GCCCCGACCACCGCCCGCGGAACACCAGGGTCGATGAACCCTCCGACTCCGTCTCTTACCGCACTTGGGCCCTCCACCTCGAAC

5440

PRKN

PRKN-202

CAATGAGCCAAGATCGTGCCACTGCGCTCCAGCCTGGGCGACAGAAAAGACTCTGTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCA
GTTACTCGGTTCTAGCACGGTGACGCGAGGTCCGGACCCGCTGTCTTTTCTGAGACAGAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGT

5525

PRKN

PRKN-202

AAAAACAGAAAGTAGAGAAGATAATGTTTCTCTCCAGATCAAAAGGCAGATTTGCTTATTATGCAGTATAATAAAGACAATGTT
TTTTTTGTCTTTCATCTCTTCTATTACAAAGAGAGGTCTAGTTTTCCGTCTAAACGAATAATACGTCAATATTATTCTGTTACAA

5610

PRKN

PRKN-202

TCCCTTCAGGATGAAAAGATGACTTGCTTAGAACTACTTAAAGAAGATTTGAGTTTCCTAAGTTCAGAGTTCTCATTTGTGATGC
AGGGAAGTCCCTACTTTTCTACTGAACGAATCTTGATGAATTTCTTCTAAACTCAAAGGATTCAAGTCTCAAGAGTAAACACTACG

5695

PRKN

PRKN-202

AAAACCACTGCACCTGTAGAATCTGACTTAGCCTATCTACTTCAACCCTGAGAGAGACGTGTGGAGGGGAACTGGTGTAAATATGA
TTTTGGTGACGTGGACATCTTAGACTGAATCGGATAGATGAAGTTGGGACTCTCTCTGCACACCTCCCTTGACCACATTATACT

5780

PRKN

PRKN-202

TGCTCATGCTTCTTTCTCCCTGTGCTCTGAGTTCTGCAGTCCTTTGTCTCTGATCCAGGAGTCTCTTGTCTTCTGTCAGCTTTTA
ACGAGTACGAAGAAAAGAGGGACACGAGACTCAAGACGTGAGGAAACAGAGACTAGGTCTCAGAGAACAGAAGACAGTGCAGAAAT

5865

PRKN

PRKN-202

TGATACTGCAGCAAATAACTTGCTAACTTGCAAGCTGGGTAAAAATCCCACATTCTTTCACAGTTCTTGGCAGTTATTCTAGTACT
ACTATGACGTGCTTTGATTGAACGATTGAACGTTTCGACCCATTTTAGGGTGTAAAGAAGTGTCAAGAACGGTCAATAAGATCATGA

5950

PRKN

PRKN-202

ACAACAAAAACATTCTTTCATAAAAAATTGGTGGAGAAAAGCACTGAAATTTACTGTTGAGGCATACATATTTAATATAGGGTTGGC
TGTGTTTTTTGTAAGAAAAGTATTTTTTAACCACTCTTTCGTGACTTTAAATGACAACCTCCGTATGTATAAATTATATCCCAACCG

6035

PRKN

PRKN-202

AATGTGAGTTTTAGTTTTATCAACACTATATGTGTTACTAGAAATTTTCAACTATCTGTAATTTCTTAAACCATTATCTATAAAC
TTACACTCAAAATCAAAATAGTTGTGATATACACAATGATCTTAAAAAGTTGATAGACATTAAGAATTTGGTAATAGATATTTG

6120

PRKN

PRKN-202

ACCTACCCCAATAAAAAAGGCTTTTTATCTGGCTGAATTTTATCTGGTGTAGAACAAATTTGTGATTTGTTAGCTGAATGTCCACT
TGGATGGGGGTTATTTTTCCGAAAATAGACCGACTTAAAATAGACCACAATCTTGTTAAACACTAAACAATCGACTTACAGGTGA

6205

PRKN

PRKN-202

GCAGCTTCTGTAAGCTAAGAAAAAACGTAAGTGCTTTCTATCTATTTTATCTGTATATGAAATACTTTTTCAATAGTCCTGCCAA
CGTCGAAAGACATTCGATTCTTTTTTGCATTCACGAAAGATAGATAAATAGACATATACTTTATGAAAAAGTTATCAGGACGGTT

6290

PRKN

PRKN-202

CTCAGCTGTTTTGGAGGAATTACTTTATGTTTTGAAAAGAGGATTTTTTTCATGTCTGCAAAAACAGTCGTAGCTAGCTCAGCGT
GAGTCGACAAAACCTCCTTAATGAAATACAAAACCTTCTCCTAAAAAAGTACAGACGTTTTTGGTCAGCATCGATCGAGTCGCA

6375

PRKN

PRKN-202

ATTTTCATAAGGGTCAGTCATGTCCTTCAGACTTTTCGTTTTGGTGTTCAGACATTGTTTTAAATCTCTTTCTCAATACCCTTGAG
TAAAGTATTCAGTCAGTACAGGAAGTCTGAAAAGCAAAAACCACAAGTCTGTAACAAAATTTAGAGAAAAGAGTTATGGGAAGTC

6460

PRKN

PRKN-202

CTGGCCATTGAAGGATTTGTCACATTTCAAAGATTGAGTAAAAGGAATGGGATCCTATGTTTCAGGAAAACAAAACATAACCAAA
GACCGGTAACCTCCTAAACAGTGTAAGTTTTCTAACTCATTTTCTTACCCTAGGATACAAGTCCTTTTGTATTGGTTT

6545

PRKN

PRKN-202

CAAAAACATCAGCCAGCATGATTTCCATGCTGCTGTGGGGAAAGGTCTGGACTCATGGGCAGGACTCCACAGGCATGCCTGAGCC
GTTTTGTAGTCGGTCGTACTAAAGGTACGACGACACCCCTTCCAGGACCTGAGTACCCGTCCTGAGGTGTCCGTACGGACTCGG

6630

PRKN

PRKN-202

TGGGCCCATCACACACACTGGACATCCTGTCCACTCCAGCAAGACTCCACACACATGCCTCCATGGGCTGAGGACTGCAGGTGTG
ACCCGGGTAGTGTGTGTGACCTGTAGGACAGGTGAGGTGCTTCTGAGGTGTGTGTACGGAGGTACCCGACTCCTGACGTCCACAC

6715

PRKN

PRKN-202

AGGACCGGCTGATATTCCTGCCCCAGATAGGATAGGTTTTAGTTAACTAAATTATACCACCTGGGATTGGTGAGACTTGTAGTG
TCCTGGCCGACTATAAGGTGACGGGGTCTATCCTATCCAAATCAATTGATTTAATATGGTGGACCCCTAACCACTCTGAACATCAC

6800

PRKN

PRKN-202

AAGAATAGCCTGGGTTCCAAATCCCTGGCTTTGGGATACTCTCATCAAAATGGCACACTCAGCCAGGCACAGTGGCTCACACCTG
TTCTTATCGGACCCAAGGTTTAGGGACCGAAACCCATGAGAGTAGTTTTACCGTGTGAGTCGGTCCGTGTACCCGAGTGTGGAC

6885

PRKN

PRKN-202

TAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACTTGAGGTCAGGAGTTCAAGACTAGCCTGGCCAACACGGTGAAACCC
ATTAGGGTCGTGAAACCCCTCCGGCTCCGTCCACCTAGTGAACCTCCAGTCCCTCAAGTTCTGATCGGACCGGTTGTGCCACTTTGGG

6970

PRKN

PRKN-202

CATCTCTACAAAAATACAAAAATTAGCCTGGCATGATGGCGGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAAGCCAAGGAGGGAGAAT
GTAGAGATGTTTTATGTTTTAATCGGACCGTACTACCGCCACGGACATTAGGGTCGATGAGCCCTTCGGTTCCCTCCCTCTTA

7055

PRKN

PRKN-202

CACTTGAACCTGGGAGGCCGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGACTGCACTAATGCATTCCAGCCTAGGCGATAGAGTGAGACTCTGTCT
GTGAACCTGGACCCCTCCGCCTCCAACGTCCTCGGTTCTGACGTGATTACGTAAGGTCGGATCCGCTATCTCACTCTGAGACAGA

7140

PRKN

PRKN-202

CAAAAAAAAAAGTAAAATGGCACACTCCAGATTTTTGAGAGTCACATATTTTACGTAAGATGTAGCATTATTTTCAGACACGGTAA
GTTTTTTTTTTCATTTTACCGTGTGAGGTCTAAAACTCTCAGTGTATAAAATGCATTCTACATCGTAATAAAAAGTCTGTGCCATT

7225

PRKN

PRKN-202

GCGACCTGCCACAGCAGCGGTCTTGGGAGAGAGTAACTAGAGTTTACTCACTTTGCCTCTGACATTGGTGGAGCTCAGGTTTCCC
CGCTGGACGGTGTCTGTCGCCAGAACGCTCTCTCATTGATCTCAAATGAGTGAAACGGAGACTGTAACCACCTCGAGTCCAAAAGGG

7310

PRKN

PRKN-202

AAGTGTGGGCCCCCTGAGCGGTAGGAACAACATCACCTGGCAAGTTGTTAGAAATGCGAATCTTGATGCCATCCCAGAAATCACAA
TTCACACCCGGGGACTCGCCATCCTTGTGTTAGTGGACCGTTCAACAATCTTACGCTTAGAACTACGGTAGGGTCTTTAGTGTT

7395

PRKN

PRKN-202

AAATCCCAGGGTGGGTTTCAGCGATCTCTGGTTTTAGCAAGTCCGTGCCCCCTCCACCCGAGTGATTCTGATGCACACTACAGCTT
TTTAGGGTCCCACCCAAGTCGCTAGAGACCAATCGTTTCAGGCACGGGGGAGGGTGGGCTCACTAAGACTACGTGTGATGTCGAA

7480

PRKN

PRKN-202

CAGACCAAGGGCTGTTGCTCATGGTGTACATGTCAGAGGAGGATGAGGTTAGTAAATTATAAACAGGAAAAGAAGAAATCAAAT
GTCTGGTTCCCGACAACGAGTACCACAGTGTACAGTCTCCTCCTACTCCAATCATTTAATATTTGTCTTTTTCTTTAGTTTA

7565

PRKN

PRKN-202

GTTGCTGTCAAACGTATAAGGGGATAACATATAGCATTTATTAAATAAATGATAAATAACATTGATTAATAGCGTTGATTAATC
CAACGACAGTTTGCATATTCCCCTATTGTATATCGTAAATAATTTATTTACTATTTATTGTAACATAATTTATCGCAACTAATTAG

7650

PRKN

PRKN-202

TATTGTTTTTCACTTAAGAAGTATATGTCAGGCTGGGCATATTACAGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGGCCAAGG
ATAACAAAAAGTGAATTCTTCATATACAGTCCGACCCGTATAATGTCCGAGTGTGGACATTAGGGTCGTGAAACCCTCCGGTTCC

7735

PRKN

PRKN-202

CAGGCAGATCACGAGGTCAGGAGATCAGGACCATCCTGACTAAAATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAATACGAAAAATTGGCCAG
GTCCGTCTAGTGCTCCAGTCTCTAGTCTGGTAGGACTGATTTTACCACCTTTGGGGCAGAGATGATTATGCTTTTTAACCGGTC

7820

PRKN

PRKN-202

GCGTGGTGGCGGGCACCTGTAGTCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAGCCAGGAGGCAGAGTTTGCAGT
CGCACCACCGCCCGTGGACATCAGGGTCGATGAGCCCTCCGACTCCGTCTCTTACCGCACTCGGGTCCTCCGTCTCAAACGTCA

7905

PRKN

PRKN-202

GAGCTGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGAAGGCAGAGACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGTATATGT
CTCGACTCTAGCGCGGTGACGTGAGGTCGGACCTTCCGTCTCTGAGGCAGAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCATATACA

7990

PRKN

PRKN-202

CATGCCTATCCTAATGTCAGTCACTGTTAGAATACAAATATGAATAAAGCATTCTACAAATGTCTCATCATGGCCTGCAGGGAAA
GTACGGATAGGATTACAGTCAGTGACAATCTTATGTTTATACTTATTTTCGTAAGATGTTTACAGAGTAGTACCGGACGTCCCTTT

8075

PRKN

PRKN-202

AATCCAACCTTGCCACATATTTTGTAAATAAGGTTTTGTTAGGACACAGCCACACCCATTTCATTTGCATACTGCTTATGGCTGTTT
TTAGGTTGAACGGTGTATAAAACATTTATTCCAAAACAATCCTGTGTGCGGTGTGGGTAAGTAAACGTATGACGAATACCGACAAA

8160

PRKN

PRKN-202

TTAGCTACAAGGCCAAGTTGAGAAGTGTGACAAAGACCATATACCCTACAAAACCAAAGCACTTAATGCGTAATATCTGGCACT
AATCGATGTTCCGGTTCAACTCTTCACACTGTTTCTGGTATATGGGATGTTTTGGTTTTCTGTAATTACGCATTATAGACCGTGA

8245

PRKN

PRKN-202

TTACATCAAAGTTTGTCAATACCAGATCAAGTGTTTTAAAGGAAAAATCCTTCCCACATTTTCAGGTAGTTAAACGCAAGTGGAAATT
AATGTAGTTTCAAACAGTTATGGTCTAGTTTACAAAATTCCTTTTAGGAAGGGTGTAAAGTCCATCAATTTGCGTTCACCTTAA

8330

PRKN

PRKN-202

AGGAGTATGTGTGGTATGCAGGGGTTATTCTGTCATCCAGTAAAAATATATGTATTTTTTTTTTTTCAGTAGCAAAAAATTTAGCTTC
TCCTCATACACACCATACGTCCCAATAAGACAGTAGGTCATTTTATATACATAAAAAAAAAAAGTCATCGTTTTTTTAAATCGAAG

8415

PRKN

PRKN-202

ACAGATGTTAGTATCATGGAAGGCATGCAGACTGTGGGACAAGAAGTAAAGCAATTGCTGGCCAAACGCCTTGGTGTGTGAGTGA
TGTCTACAATCATAGTACCTTCCGTACGTCTGACACCCTGTTCTTCATTTTCGTTAACGACCGGTTTGCGGAACCACACACTCACT

8500

PRKN

PRKN-202

ACAGAAGGAGAGTGAGAACAAATACAGAAGTTAGAACAGAAAAAGTGAAGAAAAACGTGGTTGAGAAGGGGAGAATATTATCAA
TGTCTTCCTCTCACTCTTGTGTTATGTCTTCAATCTTGTCTTTTTTCACTTCTTTTTTGCACCAACTCTTCCCTCTTATAATAGTT

8585

PRKN

PRKN-202

TCAAAGAACGTGACCTATGTGAAAAGCTAAAATGAGGGAGTATGTGGCAGGACCTGGCTGGGGAAAGGAACTAAGAAGCAGCAA
AGTTTTCTTGCACTGGATACACTTTTCGATTTTACTCCCTCATACACCGTCTGGACCGACCCCTTTCCTTGATTCTTCGTCGTT

8670

PRKN

PRKN-202

GATACTGGATTGGAGCATTCCAGTTGCCTGGCACAGAGGGTGGGCGGCAGAGTCTTCGCAGGAATGCTGGGGTGTGATGCCAGG
CTATGACCTAACCTCGTAAGGTCAACGGACCGTGTCTCCACCCGCGTCTCAGAAGCGTCTTACGACCCCACTACGGTCC

8755

PRKN

PRKN-202

CAGAAAAGGGGCAGACTCCAGATGGGGCTGGGAGAGCCATGCTCTGCTAAACTCTCGGCTGGAATTTAGTGGGGTGTGATCTCAGCT
GTCTTTTCCCGTCTGAGGTCTACCCCGACCCCTCTCGGTACGAGACGATTTGAGAGCCGACCTTAAATCACCCCACTAGAGTCGA

8840

PRKN

PRKN-202

CATTGCAACCTCAAGTGATTCTCCTGCCTCAGCCGGGCTCAAGCGATTTCTGCCTCAGCCTCTCGAGTAGCTAGGATTACAGTC
GTAACGTTGGAGTTCACCTAAGAGGACGGAGTCCGGCCCGAGTTTCGCTAAAGGACGGAGTCGGAGAGCTCATCGATCCTAATGTCAG

8925

PRKN

PRKN-202

ATGTGCCGTCATGCCCGGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTTCGCCACATTGGCCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGA
TACACGGCAGTACGGGCCGATTAAAAACATAAAAAATCATCTCTACCCCAAAGCGGTGTAACCGGTCCGACCAGAGCTTGAGGACT

9010

PRKN

PRKN-202

CCCCAGGTGATCCGCCCGCCTCAACCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGGAGCCAACGCGCCGGGCCTCTGCTGCACTTCTG
GGGGTCCACTAGGCGGGCGGAGTTGGAGGGTTTACGACCCTAATGTCCGCGCTCGGTTGCGCGGCCCGGAGACGACGTGAAGAC

9095

PRKN

PRKN-202

PCR Forward

tgtgtacttggtggctatttacag

TGTCTACCAGGAGTCCATGTGTACTTGTGTGGCTATTTACAGTAGGGCTCTCTCAATTCCTGACTCCGCTAAATGACTAACCATG
ACAGATGGTCTCAGGTACACATGAACACACCGATAAATGTCATCCCGAGAGAGTTAAGGACTGAGGCGATTTACTGATTGGTAC

9180

PRKN

PRKN-202

TAGTGATACTGGAGAAAAAGCACTGGATTTCCCTGCGGGGAGCTTGGGTTACTTCTTGGCTTCACCTCTTACTGTTTGACCCGTG
ATCACTATGACCTCTTTTTCTGTGACCTAAAGGGACGCCCTCGAACCAATGAAGAACC GAAGTGGAGAATGACAAACTGGGCAC

9265

PRKN

PRKN-202

GGCACCTCATTTCATGGCTTCACGTCTCCCTTTCCTCATTAGTGAGAGGGCTTCCCTCCACCTCCACATCGTGTGATTCTTCTAGA
CCGTGGAGTAAAGTACCGAAGTGCAGAGGGAAAGGAGTAATCACTCTCCGAAGGAGGGTGGAGGTGTAGCACACTAAGAAGATCT

9350

PRKN

PRKN-202

CTCACTTATTATCATCGAGGGGCATGGCTTAAAGAAGGTCACAGCGTATTTCTCCAGCTCCCTCGCTTAAAGAGCAAAAAGAATAG
GAGTGAATAATAGTAGCTCCCCGTACCGAATTTCTTCCAGTGTGCGATAAAGAGGTCGAGGGGAGCGAATTTCTCGTTTTCTTATC

9435

PRKN

PRKN-202

CAGAGACTCAGGGCCCTTCTAAAACAGAATTGTTGACCACTTTGGCACAAAGGTCATCCGTTCTGGGAAAGGTTTGATGCTGATT
GTCTCTGAGTCCCGGGAAGATTTGTCTTAAACAACCTGGTGAACCGTGTTCAGTAGGCAAGGACCTTTTCAAACACTACGACTAA

9520

PRKN

PRKN-202

TATTTCCATCTCACACCTCGTAACAGATTTCTTCTCTTGTCCAAAGAGATTGTTTACTGTGGAAACATTTAGAGGAAAAATGAGC
ATAAAGGTAGAGTGTGGAGCATTGTCTAAAGAAGAGAACAGGTTTCTCTAACAAATGACACCTTTGTAAATCTCCTTTTTACTCG

9605

PRKN

PRKN-202

AGCCGGGATCCATGTGTGTGATCATATTTATCTTTCTTTTCAGGAATTTTTCTTTAAATGTGGAGCACACCCACCTCTGACAAGG
TCGGCCCTAGGTACACACACTAGTATAAATAGAAAGAAAGTCCTTAAAAAGAAATTTACACCTCGTGTGGGGTGGAGACTGTTCC

9690

PRKN

PRKN-202

E F F F K C G A H P T S D K
ENSE00002151207
PRKN-202

gRNA Protospacer

GCATTACGTGCACAGACGTC

AAACATCAGTAGCTTTGCACCTGATCGCAACAAATAGTCGGAACATCACTTGCATTACGTGCACAGACGTCAGGTAAGGATCTAA
TTTGTAGTCATCGAAACGTGGACTAGCGTTGTTTATCAGCCTTGTAGTGAACGTAATGCACGTGTCTGCAGTCCATTCTTAGATT

9775

PRKN

PRKN-202

E T S V A L H L I A T N S R N I T C I T C T D V R *
ENSE00002151207
PRKN-202

Donor Template WT -> SNV

gRNA Protospacer Sequence

PAM

SNV

TATCAGCCTTGTAGTGAACGTAATACACGTGTCTGCAGTccattccttagatt

Donor Template WT -> SNV

...CTTGTAGTGAACGTAATACACGTGTCTGCAGTccattccttagattttttatcacagtgaaggagggtgcctgcac tccattccttagatt

Donor Template WT -> SNV

AAATAGTGTCACTTCCCTCCACGGACGTGAGGTAAGGATCTAAAAATAGCATCACTCCCCCTCCTTACTTTCCCAATATTGTTCTTTATCACAGTGAAGGGGAGGTGCCTGCACTCCATTCTAGATTTTTATCGTAGTGAGGGGGGAGGAATGAAAGGGTTATAACAAG

9860

PRKN

PRKN-202

Donor Template WT -> SNV

tttatcacagtggaagggagggtgcctgcactccattcctagatTTTTAT

Donor Template WT -> SNV

tttat

Donor Template WT -> SNV

TGCCACACGAGCCTTCTCAGTGAACCTCTCTTTCTGGGGAGTGCTGCTTTATTTTATTTGATGCGTCTGCCCAATTTGGGTATATTTACGGTGTGCTCGGAAGGAGTCACTTGAGAGAAAGGACCCCTCACAGACGAAATAAACTACGCAGACGGTTAAACCCATATAAA

9945

PRKN

PRKN-202

cgaaataaaactacgcagacg

Sanger Sequencing Primer

TAATGTGAGGAAACAATTTAAATGCCAGTGACTTAGTTAAGTAGGTAAATAGGGTCCTAAGATGGGAGATGGCATATCTAAAAATTACACTCCTTTGTTAAATTTTACGGTCACTGAATCAAATTCATCCATTTATCCCAGGATTCTACCCTCTACCGTATAGATTTT

10,030

PRKN

PRKN-202

ccatttatcccaggattctaccctc

PCR Reverse

TAGTGATGTAATCTTAGTTGATATTAATATAAGCTCACATATTTGAGTATAAAATGTAAACTCATCCATTAAGTTCCAAAATATCACATACATTAGAATCAACTATAATTTTATATTGAGTGTATAAACTCATATTTTACATTTGAGTAGGTAATTCAAGGTTTTA

10,115

PRKN

PRKN-202

AAAATTAATATATGGTGCTAACATTTAAATGTTAACATTAGGCATGTGCCACCACACCCAGCTAATTTTTTTGATTTGTAGTAGTTTTAATTTTATACCACGATTGTAAATTTTACAATTGTAATCCGTACACGGTGGTGTGGGTCGATTAATAAACATAAACATCATC

10,200

PRKN

PRKN-202

AGACAGGGTTTTCCCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTCAGGTGATCTGCCACCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGTCTGTCCCAAAGGGGTACAACCGGTCCGACCAGAACTTGAGGACTGGAGTCCACTAGACGGGTGGAGTCGGAGGGTTTCACGACC

10,285

PRKN

PRKN-202

GATTACAGGCGTGAGCCACTGCACCCGGCCAGGAATGGAAAAAATTTATGAACACCACAACATGTAGCCCATACATTTTATTTCTAATGTCCGCACTCGGTGACGTGGGCCGGTCTTACCTTTTTTTTAAATACTTGTGGTGTGTACATCGGGTATGTAATAAAA

10,370

PRKN

PRKN-202

TTAAATGTCTTTTCCATACATTTTCAAGTTCTCCATATTTGCCTATATTTATGCTGAGGCTTCGCACACATTCATGCACTCAAAATAATTTTACAGAAAAGGTATGTAAAGTCAAGAGGTATAAACGGATATAAATACGACTCCGAAGCGTGTGTAAGTACGTGAGTTTTA

10,455

PRKN

PRKN-202

GAAAGCAAGTAGCTAGTTTTGGGACCTTGTATTTCCTAATCCCAGTGAACACAAGAAAAGCAAGCAAATGTGGAGATGGCCTGTTA
CTTTTCGTTTCATCGATCAAACCTGGAACAATAAAGATTAGGGTCACTTGTGTTCTTTTCGTTTCGTTTACACCTCTACCGGACAAT

10,540

PRKN

PRKN-202

GTAAAAAAGGGAAAACGACTCAATACGAATTGCGGTGTAGGAGCCAAGGACAAAGTGGAAAGAACTGAGTCTGTTTTGCTCTGCA
CATTTTTTTCCCTTTTGCTGAGTTATGCTTAACGCCACATCCTCGGTTCTGTTTCACCTTCTTTGACTCAGACAAAACGAGACGT

10,625

PRKN

PRKN-202

GAGTAGGCAATTCAGAGTACAATTCCTTACTCTACACTTTCCGAATGGACAGAGAAAAGAAATTAGCTTCGTTACATGTTCTTTG
CTCATCCGTTAAGTCTCATGTTAAGGAATGAGATGTGAAAGGCTTACCTGTCTCTTTTCTTTAATCGAAGCAATGTACAAGAAAC

10,710

PRKN

PRKN-202

AAGTTGGCTAAGAAGCTCAAATTGCAATAGTGAGAACTTAGCCCTCATATCAGGAAGAACTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGAA
TTCAACCGATTCTTCGAGTTTAAACGTTATCACTCTTGAATCGGGAGTATAGTCTTCTTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAACTCTT

10,795

PRKN

PRKN-202

GGAGTTTCGCTCTTGTGCTCAGGCTGGAGTGCAATGGCGGGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCAGGTTCAAGGGATT
CCTCAAAGCGAGAACAACGAGTCCGACCTCACGTTACCGCCCTAGAGCCGAGTGACGTTGGAGGCGGAGGGTCCAAGTTCCTTAA

10,880

PRKN

PRKN-202

CTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAGGCATGCGCCACCACACCAGGCTTATTTTGTATTTTGTAGTAGAGACGGGG
GAGGACGGAGTCGGAGGGCTCATCGACCCTAATGTCCGTACGCGGTGGTGTGGTCCGAATAAAACATAAAAATCATCTCTGCCCC

10,965

PRKN

PRKN-202

GTTTCTTCATATTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCGCCCGCCTTAGCCCCACCAAGTGCTGGGATTACA
CAAAGAAGTATAACCAGTCCGACCAGAGCTTGAGGACTGGAGTCCACTAGGCGGGCGGAATCGGGGTGGTTTCACGACCCTAATGT

11,050

PRKN

PRKN-202

GGCGTGAGCTGCCGCACCCAGCCAGAAAAGAACTTTTTAATGAAATGCCAAAATGAATTAATGAATAAAGTCAAAGAATCTATTG
CCGCACTCGACGGCGTGGGTGCGGCTCTTTCTTGAAAAATTACTTTACGGTTTTACTTAATTACTTATTTTCAGTTTTCTTAGATAAC

11,135

PRKN

PRKN-202

TTTCAGACTTTTAAGCAAAAATAGTCATATACCCTAATCATTTTAAGTGTGTCTCTCTCTGGCTTTTGGAACTGTATTAGATGG
AAAGTCTGAAAATTCGTTTTTATCAGTATATGGGATTAGTAAAATTCACAACAGAGAGAGACCGAAAACCTTGACATAATCTACC

11,220

PRKN

PRKN-202

TCTTTTAAAGTTGCTTTAAACTCTGTGATTTTCGTGATAAGCAAATATTCACACTCCTATCAGGCTATTTCTATTCTCTAATAAAT
AGAAAATTTCAACGAAAATTTGAGACACTAAAAGCACTATTCGTTTTATAAGTGTGAGGATAGTCCGATAAAGATAAGAGATTATTTA

11,305

PRKN

PRKN-202

TAAAATTTAAAATGTTGATTAATAGAAAGCCCAAAAACCTTAACAGCATCTGTTGAACAAAACCTGTTTCCAAGAAGGAATAAAAATG
ATTTTAAATTTTACAACATAATTATCTTCGGGTTTTTGGAAATTGTCGTAGACAACCTTGTTTGGACAAAAGGTTCTTCTTATTTTTTAC

11,390

PRKN

PRKN-202

AGACGTGATTTTCTCTTTGCTGTCATGTTTGTACTGCTGTGGCAGGAAGCACCACAACATTGCCTTTAAAATATAGCGCTTCAG
TCTGCACTAAAAGAGAAAACGACGTACAAATCAGTGACGACACCGTCCTTCGTGGTGTGTAACGGAAATTTTATATCGCGAAAGTC

11,475

PRKN

PRKN-202

CCTCTCTTGGCAAGGTGAATGACTGTGTATGGCTAACGCTTTCAACATGCAAGAAGAAGCAGCTAAGATGGGGATTCTGGTGTTC
GGAGAGAACCGTTCCACTTACTGACACATACCGATTGCGAAAGTTGTACGTTCTTCTTGTGCGATTCTACCCCTAAGACCACAAAG

11,560

PRKN

PRKN-202

GGGAAAGGGATTGAAAAGTGCTAAAAGCGAGGGCTTGACTGCGCTGATAGCAGCAGGTAATTTAAGTCACTGTTTCAGTTTTTCAA
CCCTTTCCCTAACTTTTACGATTTTTCGCTCCCGAACTGACGCGACTATCGTCCATTAAATTCAGTGACAAGTCAAAAAGTT

11,645

PRKN

PRKN-202

AGGAAAAATTCAAAATACTCTTCTGTAAGTCAGAAAAACAGCTCATCAGCCAGTATTTTAACTTTCCATTAAGGTTGGTAAACAT
TCCTTTTTAAGTTTTATGAGAAGACATTCAGTCTTTTGTGCGAGTAGTCGGTCATAAAATTTGAAAAGGTAATTCCAACCATTTGTA

11,730

PRKN

PRKN-202

GACATTAATAATGTTGGTGATGATGGTATTATCTTACTAAGAGCGTTGCCCTCCCGTTTTCTGCTGTTATGCTGTCACCTTTTCGT
CTGTAATTTTATACACCACTACTACCATAATAGAATGATTCTCGCAACGGGAGGGGCAAAGGACGACAATACGACAGTGAAAAGCA

11,815

PRKN

PRKN-202

ATTAATAACTGGCAACATCTTTTGAAGAGAATGAGCCACTTACTTCCCAGATACACAGGGTGATAATTGCTGGAAAAATAATATT
TAATTATTGACCGTTGTAGAAAAGCTTCTTACTCGGTGAATGAAGGGTCTATGTGTCCCACTATTAACGACCTTTTTATTATAA

11,900

PRKN

PRKN-202

GTCACATTAATTTTGTTCATATGATTGCCTTTGGGAGAAATTTATAAATAGAAGCGACTATATCCAGATGCATCTTAAGGGTGTGT
CAGTGTAATTTAAAACAAGTATACTAACGGAACCTCTTAAATATTTATCTTCGCTGATATAGGTCTACGTAGAATTCACACACA

11,985

PRKN

PRKN-202

GTATATAACCAACCACTTGATTGAATAAGGTCCCTTCTCGTGAAGGCAGCCAAGTGCCCATATGTAAGAAAAGAGAGAAGAACT
CATATATTGGTTGGTGAACCTAATTATTCCAGGGAAGAGCACATTCGCTCGGTTACAGGGGTATACATTCTTTCTCTCTTTGA

12,070

PRKN

PRKN-202

CTTTCTTCTGACTTCGAGGGATCCACGTGTAAGGACATTATGAGCGCCTGCACGGACACTCCGTGCAGTTTTGGTGATCATTGTGG
GAAAGAAGACTGAAGCTCCCTAGGTGCACATTCCTGTAATACTCGCGGACGTGCCTGTGAGGCACGTCAAACCACTAGTAACACC

12,155

PRKN

PRKN-202

GGTTTTTCCTGATAATGCTTTCTTTTAAATTTAGAAAATAATTCACAATAAACTATAAAAAAGCATTAGAAGTGGCCAGACACGGT

CCAAAAAGGACTATTACGAAAGAAAAATTTAAATCTTTATTAAGTGTTATTTTGATATTTTTTCGTAATCTTCACCGGTCTGTGCCA

12,240

PRKN >

PRKN-202 >

GGCTCACGCCTGTAATCCCACCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAGGTCAGAAGTTTCGAGACCAGCCTGGCCAAC

CCGAGTGCGGACATTAGGGTGGTGAAACCCTCCGGCTCCGTCCACCTAGTGGAAGTCCAGTCTTCAAGCTCTGGTCGGACCGGTTG

12,325

PRKN >

PRKN-202 >

ATGGTGAAACCCTGTTTCTACTAAAAATAGAAAAATTAGCCAGGCGTAGTGGCACATGCCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCT

TACCACTTTGGGACAAAGATGATTTTTATCTTTTAAATCGGTCCGCATCACCGTGTACGGACATCAGGGTCGATGAGCCCTCCGA

12,410

PRKN >

PRKN-202 >

GAGGCCAAAAGAATCACTCGAATCCGGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATTGTACCACTGCGCTCCAGCCAGGGTGACAATA

CTCCGTTTTCTTAGTGAGCTTAGGCCCTCCACCTCCAACGTCACCTCGGTTCTAACATGGTGACGCGAGGTCGGTCCCCTGTTAT

12,495

PRKN >

PRKN-202 >

GTGAAACTCCGTCTCAAGAAAAAAAAAAAAAGTGTAGAAAGTTATTTTTACCTCATGCTTAGTAAAATTTCTGGTTAATTTTTTTG

CACTTTGAGGCAGAGTTCTTTTTTTTTTCACAATCTTCAATAAAAAATGGGAGTACGAATCATTTTTAAAGACCAATTAAAAAAAC

12,580

PRKN >

PRKN-202 >

CAATATCTTGATTATGCCTATTTGCAGTGTGTGTGTGCTGTATAATTATATTGTGTGTATGTATATATATATATATATATA

GTTATAGAACTAATACGGATAAACGTCACACACACACGACATATTAATATAACACACACATACATATATATATATATATATAT

12,665

PRKN >

PRKN-202 >

GTTTCGTATCATGCTTTTTCCATTTAGCAGGACATTATGATAAATTTCTCTGTGCCAGGCATGCACGTGGCAGCTCATGCCTGT

CAAAGCATAGTACGAAAAAGGTAAATCGTCTGTAACTATTTAAAAGAGACACGGTCCGTACGTGCACCGTTCGAGTACGGACA

12,750

PRKN >

PRKN-202 >

AATCCGAGAACTTTGGGAGGCCAGGCAGGCAGATTGCTTGAGCTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACATGGCAAGACCTG

TTAGGGTCTTGAAACCCTCCGGTCCGTCCGTCTAACGAACTCGAGTCCCTCAAGTCTGGTCGGACCCGTTGTACCGTTCTGGGAC

12,835

PRKN >

PRKN-202 >

TCCCTACAAAAATATAAAAAATTAGCCAGGCATGATGGCATGCACCTGTAGTCCCAGCTACCTGGGAGGCTGAGGCAGGAGAACG

AGGGATGTTTTTATATTTTTAATCGGTCCGTACTACCGTACGTGGACATCAGGGTCGATGGACCCTCCGACTCCGTCTCTTGC

12,920

PRKN >

PRKN-202 >

GCTTGAGCCTGGGAGGTCAAGGCTGCATTGAGCTGTTTGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAAAGTGAGACCCTGTCTCAA

CGAACTCGGACCCTCCAGTTCCGACGTAACCTCGACAAACACGGTGACGTGAGGTCGGACCCACTGTTTCACTCTGGGACAGAGTT

13,005

PRKN >

PRKN-202 >

AAAAATAAAAAATGAAAATCATAATAAATTTTCTCTGCCATGAAAACAGTTTTTTAAAAATAGGTACCTAAAATTCGGTTATGTG
TTTTTATTTTTTACTTTTTAGTATTATTTAAAAGAGACGGTACTTTTTGTCAAAAAATTTTTATCCATGGATTTTAAGGCAATACAC

13,090

PRKN

PRKN-202

GGGATATGCTGTTGTAGGACTTTCTCCTTAGTTCAGCTAAAAACAGAGTCCTTGTACACAACCATGAAAAATTAGGCCCGCAGA
CCCTATACGACAACATCCTGAAAAGAGGAATCAAGTCGATTTTTGTCTCAGGAACAGTGTGTTGGTACTTTTTAATCCGGGCGTCT

13,175

PRKN

PRKN-202

CTCTTTGAAGGGTGAGAAAAATGGAATTTATTGGGCAAAAAGGAAAAAGGGTAACAGGGACTCTCAGCAAAGCAAGATGA
GAGAACTTCCCACTCTTTTTACCTTAAATAACCCGTTTTCTTTTTCTTTTTCCCATTTGTCCCTGAGAGTCGTTTCGTTCTACT

13,260

PRKN

PRKN-202

ATATAGATGAAAATCTATAAGGCCAAAATGAATATGGATTAATAATAGATGAAAATCAGAGTATAGTATTAATTTATCTGTAAA
TATATCTACTTTTAGATATTCGGTTTTACTTATACCTAATTTTATTATCTACTTTTAGTCTCATATCATAATTAATAGACATTT

13,345

PRKN

PRKN-202

TATAGTTTCTGTGAACTCCTTATCATACTGGAAAATAAAAAGTAAAATATTAAGCCTCCAACCTGACTGAACAGACTCCCTCCTGGT
ATATCAAAGACACTTGAGGAATAGTATGACCTTTTTATTTTCATTTTATAATTCGGAGGTTGACTGACTTGTCTGAGGGGAGGACCA

13,430

PRKN

PRKN-202

CAGGGGGACCGTGGAGACACCTTGGAAGCTGAGTTCCAGCCATGATGGGGTGAGAGGTCAGACAGGCCTGTTATGCCAACGCCCT
GTCCCCCTGGCACCTCTGTGGAACCTTCGACTCAAGGTCGGTACTACCCCACTCTCCAGTCTGTCCGGACAATACGGTTGCGGGA

13,515

PRKN

PRKN-202

CACTAACCACCTCTAGGTTTCCTTTCTAAGGGCTAAACAGAAACCAGGCAGGTTTTCCACCTCACCAGCTGAAATCCCAGGTA
GTGATTGGTGGAGATCCAAAGGAAAGGATTCCCGATTTGTCTTTGGTCCGTCCAAAAGGGTGGAGTGGTCGACTTTAGGGTCCAT

13,600

PRKN

PRKN-202

CTACCAGATCAGGAGAGGCCAGGCTCCTCCCCACCCCAAACAGCATGAACTTCCCAAGGCTCCATCCCTTTCTCCAGTGCACA
GATGGGTCTAGTCCTCTCCGGTCCGAGGAGGGGTGGGGTTTTGTCTGTAAGGGTTCCGAGGTAGGGAAAGAGGGTACACGTGT

13,685

PRKN

PRKN-202

GGCTGGTCACTTTCTCCGGGTACCCCTTGGGTACCTTGGCTGTCTCAGTTCTATTTAACCATTTCCCACTTTTGAGCATTTAC
CCGACCAGTGAAAAGAGGCCATGGGGGAACCCATGGAACCGACAGAGTCAAGATAAATTGGTAAAGGGGTGAAAACCTCGTAAATG

13,770

PRKN

PRKN-202

TCACAGTTAAAAAACAATAAAGACTGAAAACCATATTATTTTACAGACATCATTGACTGCATGCCTTGGCTCT
AGTGTCAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTATTCTGACTTTTGGTATAATAAAATGTCTGTAGTAACTGACGTACGGAACCGAGA

13,855

PRKN

PRKN-202

AAGAATACGGTCATAACAGTGATTGCAGGTCCACGGTAATGGACATTTTTGAGGTTCTTGATCCATATTGTCACCTTCCTTTCCA
TTCTTATGCCAGTATTGTCACTAACGTCCAGGTGCCATTACCTGTAAAACTCCAAGAACTAGGTATAACAGTGGAAGGAAAGGT

13,940

PRKN

PRKN-202

GAAACACTGCTCTAGTTCTGATCTGGCTTCCCATGTTTGAGAGGGCTCCCTCCTGCCTCTCTTTCAGCATAATTTTTGTCTTTGC
CTTTGTGACGAGATCAAGACTAGACCGAAGGGTACAACTCTCCCGAGGGAGGACGGAGAGAAAAGTCGTATTA AAAACAGAAAACG

14,025

PRKN

PRKN-202

CTATTTGATAAAGGAGATTTTTTATTATTTTGTATTTATGAATACAAGATTTCTCACTGGCTTATTTGCATTTTTATTGTGAG
GATAAACTATTTCTCTAAAAAATAATAAAACAATAAATACTTATGTTCTTAAAGAGTGACCGAATAAACGTAAAAATAACACTC

14,110

PRKN

PRKN-202

AGAACAATGTGAAACTTTCTCCATATGAAAGCTATACAAAAAGTCTACAAAACAGATCTGGTTTCAGCAATTGCTTTCTCATTCA
TCTTGTTACACTTTGAAAGAGGTATACTTTTCGATATGTTTTTCAGATGTTTTGTCTAGACCAAAGTCGTTAACGAAAGAGTAAGT

14,195

PRKN

PRKN-202

CTATTCATAATATCACGGTGTCTTTATAAATATACAGTTTACTGTCTTTTGAATTTATGTTTAAATATGTTGCTTTGGTCTTTA
GATAAGTATTATAGTGCCACAGGAAATATTTATATGTCAAATGACAGAAAACCTTAAATACAAATTTTATACAACGAAACCAGAAAT

14,280

PRKN

PRKN-202

TTTTAAATATTATATTTTCTGGAGATAAATCAAATTCATAATTACAGACTTAAAAATAAAAGGGTGTTTTAAATCTATTTTTT
AAAATTTTATAATATAAAAGGACCTCTATTTAGTTAAGTATTAATGTCTGAATTTTTATTTTCCACAAAATTTAGATAAAAAA

14,365

PRKN

PRKN-202

ATTCTTATAATTGTTTTACTTATGTGTATATATATGTATTAATCATACATCATTAAATCAAATTAGACATAATTAACACATAATA
TAAGAATATTAACAAAATGAATACACATATATATACATAATTAGTATGTAGTAATTAGTTTAAATCTGTATTAATTGGTGTATTAT

14,450

PRKN

PRKN-202

GATGAAAATCGGAGGATAGTATTAATTTATCTGTAAATATAGTTTCTGCGTACTCCTTATACTGAGAAAATAAAAAATAAATTGTA
CTACTTTTAGCCTCCTATCATAATTAATAGACATTTATATCAAAGACGCATGAGGAATATGACTCTTTATTTTTATTTTAAACAT

14,535

PRKN

PRKN-202

AGCCTCCAACACTGACTGAACAGAATCCCTCCTTGTCAAGGGGACCGTGGAGACACCTTGGAAAGCTGAGTTCCAGCCATGATGGGGT
TCGGAGGTTGACTGACTTGTCTTAGGGAGGAACAGTTCCCTGGCACCTCTGTGGAACCTTCGACTCAAGGTCGGTACTACCCCA

14,620

PRKN

PRKN-202

GGGAGGTCAGACAGGCCTGTCATGTCCCCACCTCACTAACCACCTCTAGGCTTCTTCCCTAAGGGCTAAACAGAAACCAGGCC
CCCTCCAGTCTGTCCGGACAGTACAGGGGTGGGAGTGATTGGTGGAGATCCGAAGGAAGGGATTCCCGATTTGTCTTTGGTCCGG

14,705

PRKN

PRKN-202

TTCGAAAAGACTCTACACTGAGGCTGGGCATGGTGAGTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGTGTGCAGATCAC
AAGCTTTTCTGAGATGTGACTCCGACCCGTACCACTCAGTGCGGACATTAGGGTCGTGAAACCTCCGACTCCACACGTCTAGTG

14,790

PRKN

PRKN-202

TTGAGGCCAGGAGTTTGGAGAGCAGCCATGGCCAACATGGGGAAATCCCATCTCTACTAATAATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AACTCCGGTCCCTCAAACCTCTCGTCGGTACCGGTTGTACCCCTTTAGGGTAGAGATGATTATTATGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT

14,875

PRKN

PRKN-202

AATTAGCCAGGCATGGTGGCGCGCGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGATAATCGCTTGAACCCGGGAGGC GG
TTAATCGGTCCGTACCACCGCGCGCGGACATTAGGGTCGATGAGCCCTCCGACTCCGTCTATTAGCGAACTTGGGCCCTCCGCC

14,960

PRKN

PRKN-202

AAGTTGCACTGAGGCGTGATCACACCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAAACTGTGTCTCAAAAGAAAAAAAAAGGCCCC
TTCAACGTGACTCCGCACTAGTGTGGTGACGTGAGGTCGGACCCACTGTCTCACTTTGACACAGAGTTTTCTTTTTTTTCCGGGG

15,045

PRKN

PRKN-202

ACACTGATAATGTCCATCACTGGCTTATATCTTCCAGGTACAGAATAAAGGCAAGATAAGATAAATCAGTCCTTCACCCTCCCT
TGTGACTATTACAGGTAGTGACCGAATATAGAAGGGTCCATGTCTTATTTCCGTTCTATTCTATTTAGTCAGGAAGTGGGAGGGA

15,130

PRKN

PRKN-202

GAGACAGCTGTTTCTCTATTCTGATTTTCTTTAAATGTTTACCTTATCTTATGTAAAATGTAGGTTTACTGGGCACTATCTAAA
CTCTGTGACAAAAGGAGATAAGACTAAAAGAAATTTACAAGTGGAATAGAATACATTTTACATCCAAATGACCCGTGATAGATTT

15,215

PRKN

PRKN-202

GGCTCACAAGTATATAATCATCACAAGTATG
CCGAGTGTTTATATATTAGTAGTGTTCATAC

3'











15,246

5'

PRKN

PRKN-202

Feature		Location	Size			Type
PACRG		1 .. 15,246	15,246 bp			gene
/note	= gene ENSG00000112530 Protein coding					
PRKN		1 .. 15,246	15,246 bp			gene
/note	= gene ENSG00000185345 Protein coding					
PACRG-201		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000337019 Protein coding					
PACRG-203		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366889 Protein coding					
PRKN-201		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000338468 Nonsense mediated decay					
PRKN-202		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366892					
PRKN-203		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366894 Nonsense mediated decay					
PRKN-204		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366896					
PRKN-205		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366897					
PRKN-206		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366898					
PRKN-207		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000479615 Nonsense mediated decay					
PRKN-212		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000673871 Nonsense mediated decay					
PRKN-221		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000674436 protein_coding_CDS_not_defined					
PRKN-223		1 .. 15,246	15,246 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000674501 Retained intron					
PRKN-216		1 .. 10,119	10,119 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000674232 Retained intron					
PRKN-202		9648 .. 9763	116 bp			CDS
/note	= coding sequence ENSP00000355858					
/translation	= EFFFKCGAHPTSDKETSVALHLIATNSRNITCITCTDV 38 amino acids = 4.2 kDa					
PRKN-204		9648 .. 9763	116 bp			CDS
/note	= coding sequence ENSP00000355862					
/translation	= EFFFKCGAHPTSDKETSVALHLIATNSRNITCITCTDV 38 amino acids = 4.2 kDa					
PRKN-205		9648 .. 9763	116 bp			CDS
/note	= coding sequence ENSP00000355863					
/translation	= EFFFKCGAHPTSDKETSVALHLIATNSRNITCITCTDV 38 amino acids = 4.2 kDa					
PRKN-206		9648 .. 9763	116 bp			CDS
/note	= coding sequence ENSP00000355865					
/translation	= EFFFKCGAHPTSDKETSVALHLIATNSRNITCITCTDV 38 amino acids = 4.2 kDa					

Feature	Location	Size			Type
✓ Donor Template WT -> SNV	9724 .. 9823	100 bp			misc_feature
✓ gRNA Protospacer Sequence	9742 .. 9761	20 bp			misc_feature
✓ SNV	9748 .. 9748	1 bp			misc_feature
/note = WT = C SNV = T					
✓ PAM	9762 .. 9764	3 bp			misc_feature

Primer	Length	Binding Sites	Tm	Date Added
✓ PCR Forward	25-mer	9113 .. 9137	58°C	May 19, 2023
/sequence =	tgtgtacttggtggctatttacag 40% GC / 7709.1 Da			
✓ Donor Template WT -> SNV	100-mer	9724 .. 9823 9762 .. 9780	73°C 44°C	May 19, 2023
/sequence =	tatttttagatccttacctcagtcctggagggaagtgacactatttttagatccttacCTGACGTCTGTGCACATAATGCAAGTGATGTTCCGACTAT 42% GC / 30,744.0 Da			
✓ gRNA Protospacer	20-mer	9742 .. 9761	60°C	May 19, 2023
/sequence =	GCATTACGTGCACAGACGTC 55% GC / 6102.0 Da			
✓ Sanger Sequencing Primer	21-mer	9908 .. 9928	55°C	May 19, 2023
/sequence =	gcagacgcatcaaaataaagc 43% GC / 6441.3 Da			
✓ PCR Reverse	25-mer	9991 .. 10,015	58°C	May 19, 2023
/sequence =	ctcccatcttaggaccctatttacc 48% GC / 7487.9 Da			