

**JIPSC1076\_SnappeneDNA\_INK2S00115\_CHMP2B\_I29V\_SNVWT**  
 28,286 bp

CGCAGGCGCCGCCTAGAAGTGACTTCTCCAAAAAGTGTGTTAGTTCCEGGTCACTGAGCTCCGGGACGCGGGCTGCGGTAAGCTGCGGATACAAGCCTTCCGCGGGTCTCGCTGCGGACCCCGACCTCCTCT  
CGTCCGCGGCGGATCTTCACTGAAGAGGTTTTTTCACACAATCAAGGGCCAGTGGACTCGAGGCCACTGCGCCGACGCCATCGACGCCTATGTTGGAAGGCGCCAGGACGACCGCTGGGGCTGGAGGAGGA

135

CHMP2B

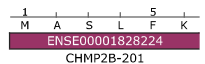
CHMP2B-201

GCTGTCTCTCCGCTCCGCCACCCGAAACCAGGCAAGGTCCTGCTCTTCTCTGCTCTTTCAGCGGTTGGGGCCGAGCCGGGCGGAGCCGGGCGGCGCAGTCTTTAAACATGGCGTCCCTCTTCAAG  
CGACAGAGAGGCGAGGCGGTGGGGCTTGGCGGTTCCAGGACAGGAAAAAGGAGGACAGGAAACGGTCGCAACCCGGCTGCGCCGCTGCGCCCGGCGGGCCCGCTCAGAAATTTGTTACCGAGGGGAAAGTTT

270

CHMP2B

CHMP2B-201

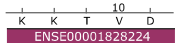


AAGAAAACCGTGGATGGTGAAGTTCAGGCGGGCTGAAGGGGCCAGCTCTGCGTTTTCTCGCGCTCTTTCAGAGCCTGCTGGCCGCGATTCTGCCTACTGTCCCTGGAGGCGGGGCTGGATCAAGTGGTCCAC  
TTCTTTTGGACCTACCACTCAAGTCCGGCCGACTTCCCGGGTTCAGACGCAAAAAGAGCCGAGAAAGCTCCGGACGACCGGCTAAGACGGATGACAGGGACCTCCGCCCCGACCTAGTTACCAAGGGTG

405

CHMP2B

CHMP2B-201



CHMP2B-201

AGGTGACCGCCTCGCGGCACCACTTCTGCTCCCTCTGCTTCTGACTCACCTCACCTTAGGCTCACCTAGGCAGTCTGGTTGCTTCCCTATCCTCACGATTCGCCACCCCTCGGGTTTTCTCAGCAGGAT  
TCCACTGGCGGAGCGCCGTGGTGAAGAGACGAGGGGAGAACGAACTGAGTGGAGTGAATCCGAGTGGATCCGTCAGACCAACGAAGGGATAGGAGTGCTAAGGGGTGGGAGCCAAAAGGAGTCTGCTTA

540

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTGAGCGTTTTCGAGGAGGCTAGCTGGCCCTTGAAGTGTCAATAAACTTGGAAATCTGATGGATTCTTGTGGTTTTCTCTGCTTCGATTGTTGCTCTTCAGTTGGGGGATATACTACTTGTAGGCATCCATACA  
GGACTCGCAAAGCTCCTCCGATCGACCGGAACTCACAGTTATTTGAACCTTTAGACTACTAAAGAAACAAACAAAGGAGACGAAGCTAACACGAGAAGTCAACCCGCTATATGATGAACATCCGTAAGTATGT

675

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGAACCTGGCAGTCTCGAATGGGAGGGAGGGGATAACAGGCTCCAGTTAGGAAATGAAGTTGGGCTGGGTCAGTTGCTTCTTTAAGAACACCCATCAGTAAAGAGATGTGAAACAAATGCTTTTTGATTA  
CCTTTGACCGTCAGAGCCTTACCCCTCCCTCCCTATTGTCGAGGTCATCTTTACTTCAACCCAGCCAGTCAACGAAGAAATCTTGTGGGTAGTCATTTCTCTACACTTGTGTTACGAAAAAACTAAT

810

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACCCAGTAGAAAAATAAACCAAGGGAAGTCCAGGATTTAGTTTTCAATAATGGATTTTTCTCCCTTATGATTATTTTTGCAACCTAAAGAAAGAGATGGGGTATATATTGCTTCCATAGAAGTTTAAACATGT  
TGGGTCATCTTTTTATTGTTCCCTTACGGGTCATAATCAAAGTATTACCTAAAGAGGGAATACTAATAAAAAACGGTGAATTTCTTCTACCCATATATAACAGAAGTATCTTCAAATTTGTACA

945

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAGATAATTGTTGTTTCCCGCATTAGCTTAATATCATCTTAAGCGGGGAAAAAGTGAATGTAAGGAAATGTACAAGTTTTATGGTGCTCATATGCGATGCCTATAATGTGTTTATATAACACTTGATGTT  
TTTCTATTAACACAACAAAGGGCGTAAATCGAATATAGTAGAATTCGCCCTTTTTTCACTTACATTTCTTACATGTTCAAAAATCCACGAGTATACGCTACGGATATTACAAAATATATTGTGAACACAA

1080

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCAATTGATTGCTACCAAGAAATAAATTCATTCAAGTATTTAAAAATTTGTTCCCATTTATGTTTGTAGTCTAGGTTGTTGCTGGTTCAACCAAAGAACTACTTCTTTGTAAGGGTCTAATTTCTGCCAAAAA  
AAGTAACTAACGATGGTCTTAATTTAAGTAAAGTCAATAAATTTTTAACACAAGGGGTAATATACAAATCAGATCCAACAACGACCAAGTTGGTTTTCTTAGTGAAGAAACATCCAGATTAAAGCGGTGTTTT

1215

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGAGCAGTGGTAGCTAGACAGTATTGGTACAAATAGGGTGTCTAGTCCAGACCTGGACGTAACCTCTTCATTCTTTGTTGACTATTCCAATGCCAGCAAAATTTTTGGGGAGGATAACAAAAGAGTCAT  
CCTGTCACCATCGATCTGTCACTAACCATGTTTATCCACGAGTCAAGTCTGGACCTGCATTGAGGAAGTAAAGAAACACAACCTGATAAGGTTACGGTGTGTTTAAATAAAACCCCTCTATTGTTCTTCAGTA

1350

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTCTGCTCTGCTGCTGTACACTTCAATTTCAACACATAATCTACTTTACCTCTAATTTATCAGATGACATAATACATTTTTCTTACTCTGGGTGACTGAACATTTTTGATTTATTGACTTTTTTAAAGTACC  
GAGACGAGACGACGACATGTGAAGTAAAGTTGTTATTAGATGAAATGGAGATTAATAAGTCTACTGTTATTGTAAGAAAGGAAAGGAGCCACTGACTTGTAAAAAACTAAATAACTGAAAAATAATTCATGG

1485

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTTGCAATACCTGGAATAACTACCAACTTCGTATATTAGGTGATACAGTGATGTGAAATGGATTTTATGTGTGCTTTTCATGAGAATGCTGCTTAATCTTTAATATGGCACTTTATTTTTTTCAGTGTTTTAGCT  
TAAACGTTATGGACCTTATGTATGGTTGAGCATATAATCCACTATGTCACCTACACTTTACCTAAAATACACACGAAAAGTACTCTTACGACGAATTAGAAAATATACCGTGAAATAAAAAAGTCACAAAATCGA

1620

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCCACTGTTGTGAGCTTCACTTATTTTTACAGTACTCCAGGGAGTGGGGGTGGGGGAACGATTTATTTCTTTTGGCTTGAGTTTTATATAGTTACAGTTTTTTTTTGTGTGTTAGTTTTATATAGTGAGAATTTA  
CGGTGACAACACTCGAAGTGAATAAAATGTCATGAGGTCCTCACCCACCCCTTCTGCTAAATAAAAAGAAAACGAACCTCAAATATATCAATGTCAAAAAAACAAACAAATCAAATATATCACTCTTAAAT

1755

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTAAATGGAGAAAAATGGTTTCATCTCCTTTACTGTGATGTTACAATTAGAGTTAATTTTTTTTTTAAACAATAAAGCCAAGCATACTAGTTTTAATCGCCTAATACCTGTCAAATATTTTCAAAGACATAAATC  
GATTTACCTCTTTTTTACCAAAGTAGAGGAAATGACACTACAATGTTAATCTCAATAAAAAAAATTTGTTATTTTCGGTTCGTATGATCAAAATAGCGGATTATGGACAGTTTATAAAAGTTTCTGTATTTAG

1890

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCAGTTCGTGCTTCCTGGTGCTTTTGGAAATTTAGTGACTATTGACTTGAAGTGATAGAGGAGAGAAAAAAGACAATGGGGATGTGCAATGAGTGTTTAACTGTATACTCATTTCAGTAAATTCTTCCAAGA  
AGTCAAGACACGAAGGACCACGAAAACCTTAAATCACTGATAACATGAACCTTACATCTCCTCTCTTTTTTCTGTTACCCTACACGTTACTCACAATGACATATGAGTAACGTCAAATTAAGAGGTTCT

2025

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATAATGTTTTGCTGAATAGACTTATTTGTAAGAGTCTTAAGGACTCTTGTAGGAATATGCCACTAAATTAACCATATGTGCAATTTCAAATGTAATTTGGCCAGCAGGTACATTTACTATAAATAC  
TTATTACAAAACGACTTATCTGAATAAACATTTTCTCAGAATTCCTGAGAAGCATCTTGTATACGGTGATTTAATTTGGTATACACGTTAAAGGTTTACATTTAAACCGGTCGTCATGTAATGATATTTGATG

2160

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CAAGATGCATACTTGATGTTTTCTTATATTATTGTGTCATTCAGGATCATTTACTGACATCTTAATAAATAGATCTGTATTTTCGTTATTTTGTATAGAGCTTTACTTTTTTATTCCCTGTTTTATTGAAAGG  
GTTCTACGTATGAACACAAAAGAAATAATAACACAGTTAAGGTCAGTAAATGACTGTAGAATTTATCTAGACATAAAAGCAATAAACTATATCTCGAAATGAAAAAATAAGGGACAAAAATAACTTTCC

2295

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGTTTTTTTTGTTTTGCTAAAAGGTGACAGCATTCTTCTTGGTAATGAGGCTGTATATTGAATATGAAGTTTAAATGATTTTTATGTCTCTCAGATCGTTGGATTGATCATGAGCTCTTTTATTGTATGC  
TTCAAAAAAACAACAGATTTTCCACTGTCGTAAGAAGAACCTTACTCCGACATATAAATCTTACTTCAAAATACATAAAAAACAGAGAGTCTAGCAACCTAACCTAGTACTCGAGAAAAATAACATACG

2430

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGACTTTAAATCTGTTCCAGCAGTAATGAAATCTGATATATAAGGGAAACATGTACCTGCCTATAGATCTGGGGAATAATTGAATCTTTTTCTCTGTTTGGATTGGCTGGAAGAGTTATATACTGTATCATT  
ACTGAAAATTTAGACAAGGTCGTCATTACTTTAAGACTATATATCCCTTTGTACATGGACGGATCTAGACCCCTTATTAACCTAGAAAAAAGGACAAACCTAACCGACCTTCTCAATATATGACATAGTAAT

2565

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGACTACTGCACATGTAATTTAAAAGGAAGACAACATTACAGCACTTATTACTATTCAGAGTTATGTTAAATTCATTTTGACACAAGATGAACAAGTCTCTGCGGTGTATACTTTGCTGTAGAAATTAATGA  
TTCTGATGACGTGTACATTTAAATTTTCCCTTCTGTTGTAATGTCGTGAATAATGATAAGTCTCAATACAATTAAGTAAACTGTGTTCTACTTGTTCAGAGACGCCACATATGAAACGACATCTTAAATACT

2700

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAGGTATACCTCAAGAGAAGGGAAGGATTCTTTGGAAATTTGAAATTTACAGTTGAGTACTACTGGTTTTCTTTTACCTGTGTAAGGATATACATATATATAGTGTGTTATGTTTACCTACAGTGTATTTTCC  
CTCCATATGGAGTTCTTCCCTTCCCTAAGAAACCTTAAACTTTAATGTCAACTCATGATGAACCAAAAAGAAAATGGACACATTTCTATATGTATATATATCACACAATACAAATGGATGTCACAAAATAAAAGG

2835

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

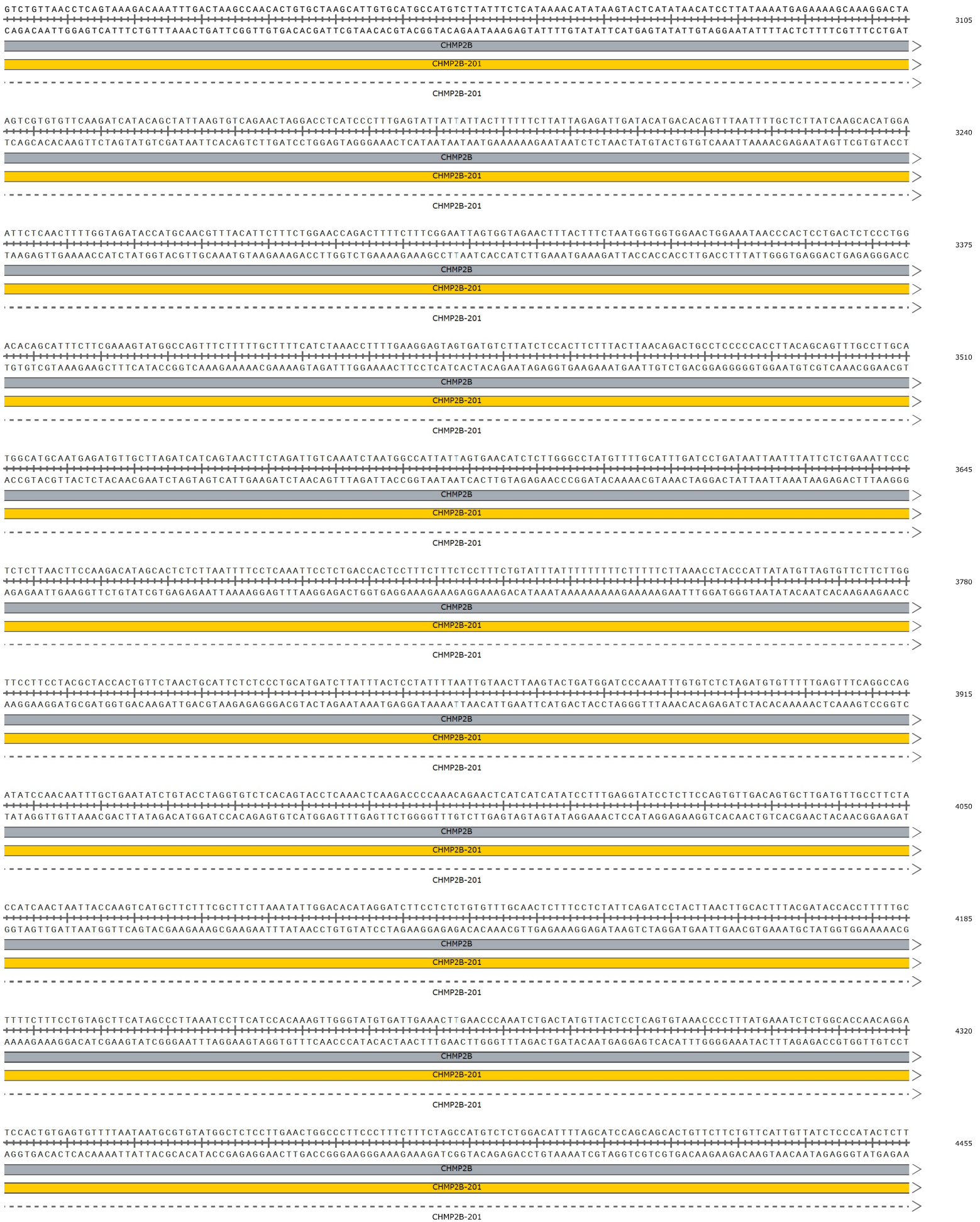
CCCTTTGTAGATTAATAGTGACCTATTTAGGGAAGCTAATTTGAACCTGTAAATCAGGATCCCACTAGGACTTGTCAAAATGCACAACATAAATGCTTAAAAGTGAAGTCTTTAAACACTATATAATTTT  
GGGAAACATCTAATATCACTGGATAAATCCCTTCGATTAATACTTGGACATTTAGTCTTAGGGTGATCCTGAACAGTGTTCAGTGTGATTTGTACGAAATTTCACTTCAAGAAATTTGTGATATATTAATAA

2970

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201





TCTCACCCCTGACATATTTTGGCTTTTGTATGCCCTTATGCCCTAGAATTCCCTTTTTATCCTTCCCTAGCTAAGCTGAACCTATCCTAGGTTTATTTCTTCTCAAAGTCTCTATGAAGTACTCCTTATGTTCCCTTT  
AGAGTGGGACTGTATAAAAACGAAACTACGGGAATACGGATCTTAAGGGAAAAATAGAAGGAGATCGATTCGACTTGATAGGATCCAAATAAAGAAGAGTTTCAGAGATACTTCATGAGGAATACAAGGGAAA

4590

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTGGCATTCTTTCTGACTTGGATTCACTAGAACCATAGTAGACCCCTCTGCACCTTCAAAGTTGGATAATGCTTATTCTGTCTCTTCTACATTCCATATTTGTAAGGGGCTTCAGAGTCTTCAGCAGAAATGA  
ACACCGTAAAGAAAGACTGAACCTAAGTGATCTTGGTATCATCTGGGAGGACGTGAAAGTTTCAACCTATTACGAATAAGACAGAGAAGATGTAAGGTATAAACATTCCCGGAAGTCTCAGAAGTCGTCTTTACT

4725

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAATATATCTGCAAGAGTTTCTAATTTAGAGATTAATATCTAAAATAATATCATTACTAACCAAAGTAGTATTCGAATATCCAGGGCTTAGAAGAGTCTGGATCCACACTTTGCCACCACCTGTGAACCTTTAG  
TTTATATAGACGTTCTCAAAGATTAAATCTCTAATTTATAGATTTATTATAGTAAATGATTGGTTTCATCATAAGGTTATAGGTCCCGAATCTTCTCAGACCTAGGTGTGAAACGGTGGTGACACTTGAATC

4860

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGCAAGTTAGAGGTAATTTGAAGAACACTACAGAGAGAAGAGGAACAAAGCTTCTGGCTTTTGGCTCATTGGGATGATATTTGTATATGCTAGTTGTCTAGAGTTCAAAAACCTGTGAGGTTTTGACTAAGTTGG  
ACGTTCAATCTCCATTAACCTTCTTGTGATGTCTCTCTCTCTCTGTTTCGAAGAACCAGAAACGGAGTAAACCTACTATAAACATATACGATCAACAGATCTCAAGTTTTGACACTCCAAAACCTGATTCAACC

4995

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GATAAATCCCTTTCAATGTATTAGTTGTGATGCCACATTTCTGATGTTAAAAGGAAATAAACCGGAATACCCTTCAGAAACATTTTTCTGTATTCCAGAATAAAATACACTATTCTCATGGTGGTACCTGCA  
CTATTTAGGGGAAAGTTACATAAATCAACACTACGGTGTAAAGACTACAATTTTCTTTATTTGGCTTATGGGAAGTCTTGTAAAAAAGACATAAGGTCTTATTTATGTGATAAAGAGTACCACCATGGACGTC

5130

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTCAGATCTTCCAGGATGCTATGTGTTCCCTTATGCTCCTTATCTGGATATTTAAAAAATCAAAATTTACTTTCTACTTAAACCCCTACATCTTGGACATACCAAAGAAAAATAATTGAACATGGGATT  
TTAAGTCTAGAAAGGTCCTACGATACACAAGGAAATCACGAGGAATAAGACCTATAAATTTTTGAGTTTAAAAATGAAAGATGAATTTGGGATGTAAGAACTGTATGGTTTTCTTTTATTAACCTGTACCCTAA

5265

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAGGAACACAGTATACTCTTCTGAGCATTCTTCTAGAAAAACATCTCCCTACTTTTAGAATAGATATTTCTGTAGGAAAAATGTGTTCCCTCTGTATTTCTGCATCCCCAGCATGACAACAAAAGACAGACATTT  
CTCCTTGTGTCATATGAGAAGACTCGTAAAAGAACTTTTTGTAAGAGGGATGAAAACTTATCTATAAAGACATCCTTTTACACAAGGGAGACATAAAGACGTAGGGGTCGTACTGTTGTTCTGTCTGTA

5400

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTTTCTGGCTACCATTTCTATCTTCAAGTCCATTGGCCTGTGAGGCTTTTCTTCCAGGACACATTTGCCTCTCATTCTCTCATTTATCTAAGATGAAAATGTGCTTTGACAGTTTTCTGAACTGCAGTTTTAT  
GGAAAGACCAGTGGTAAAGGATAGAAGTCCAGGTAACCGGACACTCCGAAAAGAAGTCTGTGTAAAGGAGAGTAAAGAGTAAATAGATTCTACTTTTTACACGAAACTGTCAAAGACTTGACGTCAAAATA

5535

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGATGATGTTACTAAAGCCTTTGCCGTTGAGGACCAAAACAGACTCAAAAGTCTACTGACATGTGCCCATCTCAAACCATCTTTTAGCTCTTGAAAACAGTGGCATTTTATGTTTATAAAATGGTTCACATG  
ACTACTACAATGATTTGGAACAGGCAACTCCTGGTTGTTCTGAGTTTTAGATGACTGTACACGGTAGAGTTTTGGTAGAAAATCGAGAAGTTTTGGTCACCGTAAAAATACAAATTTTACCAAGGTAC

5670

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTCCTCAGGGCTGAGTGACTTTTGAAGTACTAGTAGGAGAAAAAATATTTTTGCTACCAGATATGCTACTGTAGGGCTTGGCTTACTCCCAATTTCTCTCAGTATTTTGCCTCTTCAAGTCTCG  
TTAAGGAGTCCCAGACTCACTGAAAACCTCTCAATGATCATCTCTTTTTTAAATAAAACGATGGCGTATACGATGACATCCGAAACCGAAGTGAAGGGTTAAAGAGAAGTCAAAAACGGAGAAGGTTCAGGAC

5805

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTGTTTTTCAGTTTTAAACCTGGTCTTAAAGTATGTTGGCTCTCTGACGATGTCTAGGTAGAATAAAAGCTGTTGGCATGATCCCCTTTGTTCTTTTTGTTTTCTATAGTTGCCTTTTGTTTTCTTTTACCCTG  
GACAAAAGTCAAATTTGGACCAAGAATTCAATCAACCGAGAGAAGTCTACAGATCCATCTTATTTGACAAACGACTAGGGGAAAACAAGAAAAACAAAAGATATCAACGAAAACAAAAGAAAAATGGCAC

5940

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TATTAGAAGCTGATTAGTTAAGCTGATAAATTTTGTCCCTGAGTGTCAGATATACCATTCCCAAACCTGAGAAGCAAATTTGGTTTGCATATCAAATTTCTAATTTACTTTGTACCCCACTCTCACTGTCATTTTCCT  
ATAATCTTGAATAATCAATTCGACTATTATAAACAGGGACTCACAGTCTATATGGTAAGGTTTTGGACTCTTCGTTTAAACCAAACGTATAGTTAAGATTAAATGAAACATGGGTGAGAGTGACAGTAAAGGA

6075

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTGCATTTGAGTAAATCTTGTTCCTAGAACCGGAACCTTCTGGATAGTGACCTTTAATATTTCTTTTTAATGCCTTAGCTTTTGGTTTGTGCATATTTTGCAGTTTTTTTTCTCTTCATCAAGTCAAGATGA  
AGACGTAACCTCATTAGAACAAAGGATCTTGGCCTTAAAAGACCTATCACTGGAATTTATAAGAAAAATTTACGGAATCGAAAACTCAACAGTATAAAAAAGTCAAAAAAAGAGAAAGTAGTTCAGTTCTACT

6210

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AACATCCTTACGTAGCCAGGACTTCTTTTCACTTTACTGTTTCATTGGCAAGCTCCATCATGCCTAGTTAGCTGAATTGACGCTCACTCTGGGCTTTTTCTTATATCCATAGCACAAATCAGGATTTGTCCAGTGTG  
TTGTAGGAATGCATCGGTCTTGAAGAAAAGTGAATGACAAGTAACCGTTGAGGTAGTACGGATCAATCGACTTAACGCGAGTGAGACCCGAAAAGAATATAGGTATCGTGTAGTCTTAAACAGGTACAGAC

6345

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTACCAGTGTACAGTGCCTACTATTCCCACTGACACTAGCTGTTACAGAGCTTGCAGGTAAGTCTAAAGTGAAGAAGTACCTCTCCCTGGAGATCTTGATACCTTAAAAACAGTAAATGGAGATTATAAAGTA  
AATGGTCACAGTGTACGGGTGATAAGGGTACTGTGATCGACAAATGCTCGAACCTCATTTCAGATTTTCATCTTCGATGGAGAAGGGACCTCTAGAATATGGAAATTTGGTCAATTACCTCTAATATTTTCAT

6480

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGATGTGGGAACATTTTGTCTATCTCAATGATATGATGATTAGGTTTGGAGTAACTGATAGGCAATAAAATCAATAGATAAAAAATGATTTTCTCAAAGAAATACATTTAATAGTAGGAAATTTGGCTTAT  
CCTACACCTTGTAAAACAAAGATAGAGTTAACTATACTACTAATCCAATCTCATGACTATCCGTTATTTTAGTTATCTATTTTACATAAAAAGAGTTTTCTTTATGTAATTTATCATCCTTTAAACCGAATA

6615

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGATTA AAAAGTCTGTTATGACCTTATAGTGA AAAACACAGCATACAGTATAGTGGCTACTTCTCTAGTAGATCAGCTTGAATCCTGCTGACCGATGGTGATTGTCATACTGTCCAGCATTCTTGAGGCATTC  
ATCTAATTTTTCAGACAATACTGGAATATCACTTTTTGTGTCGTATGTCATATCACCGATGAAGAGATCATCTAGTCGAACTTAGGACGACTGGCTACCCTAAACGTATGACAGGGTTCGTAAGAACTCCGTAAG

6750

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATCCTGAAGTGCCTTGC AAACCTTGAGATAGCTCCCCACCTTCCCCAAAAGAAAGGCACCTTAAATAGTATTACTCACAAATTAATGAATGTCCATATTTATACTTGATAATTACTTTTTGCTTTTATCCTCAA  
TAGGACTTGACGGAACTTTGAACCTATCGAGGGGTGGAAGGGGTTTTCTTTCCGTGAAATTTATCATAATGAGTGTAAATTACTTACAGGTATAAATATGAACCTAATGAAACAAACAAATAGGAGTTT

6885

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTACAAATATATCTGAACTAATGGTAGGGAGGACAGGCATGATTCAGTTGGGGCTTGGCCCTCAAACCCCAAGTAGAGAATCTGGTGAGCTAGACTGGACCACATGGGAGACCTTTTTTGTGTTTTTAT  
ACATGTTAATATAGACTTGATTACCATCCCTCTGTCGTAAGTTCAACCCCAACCGAGTTTTGGGGTTCATCTCTTAAGACCACTCGATCTGACCTGGTGTACCCTCTGGAAAAACAAACAAAAATA

7020

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTTATTTTTGACTTTTTATTTTTGTAAGCAGATAAACCATATTGACTCAGAACCAAAAAGGCAGAAACACCTTGTGTCTCTTAAGTCCAAGACTTAAGTCTATGATCTCATCACTCTACTGTAGACCTGT  
AAAAATAAAAAACTGAAAAATAAAAAACATTCGTCTATTTGGTATAACTGAGTCTTGGTTTTTCCGTCTTTGGTGAACACAGAGAATTCAGGTTCTGAATTCAGATACTAGAGTAGTGAGATGACATCTGGACA

7155

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GTATTTCCCTTCAGTAAGAAGAACCCTGAAAGACTTGAGATAGGCTTTAATGCCAGAGTGGAGCCGGCTGGGTGGCCTTTTCTTAAGTGTGTGCTGGGCATGGGTGAAAAGAGGGTGGTGGATGAATCAAGCT  
CATAAAGGAAGTCACTTCTTGGACTTTCTGAACTCTATCCGAAAATACGGGTCTCACCTCGGCCGACCCACCGAAAAGAAATCACAACACGACCCGTAACCCACTTTCTCCACCACCTACTTAGTTCGA

7290

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCCAGACCCTTTTATCTCACTGAATGGTAAGAGAGAGAATATACCATATCATATCCATGTACCTTTGGCATTTTACAGTGTGAAGTTTTCTATTACCACCTATTATGATGCTTTGAAACAACCCACAAGTA  
AGGTCTGGAAAAATAGAGTGACTTACCATTCTCTCTTTATATGGTATAGTATAGGTACATGGAAACCGTAAAAATGTCACACTTCAAAGATAATGGTGGATAATACTACAGAAACTTTGTTGGTGTCCAT

7425

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201



GATGAAGTCC TAGAAGTGA AAAAAT TGAGTGTATACCTTTATCTGCCTGAAGAAAAGAACGAGAGATAGACAGGGAGTCAAGCACTCCATCTCTTAGGTGGCAGCAGTACCTGTACATGTTTCTGTATGATC  
CTACTTCAGGATCTCTTACTTTTAACTCACATATGGAAATAGACGGACTTCTTTCTTCGTCTCTTATCTGTCTCTAGTTCGTGAGGTAGAGAAATCCACCCTGCTCATGGGACATGTACAAAGACAGTACTAG

7560

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTGCCTCACATTGAAAAATCGGGGAAGTAGAAAAGTTATAAGGAAAACAGCCAATTATTTCAATGTTTCACATTTCCATTGTAGAAAGCTACCTATCATGTTTCATATTTACTATTGTTAAATTTATCTTTTTGA  
AACGGAGTGAACTTTTAGCCCTTCATCTTTCAATATTCCTTTTGTGGTTAATAAAGTTACAAAGTGTAAAGGTAACATCTTTCGATGGATAGTACAAAGTATAAAATGATAACAATTTAATAGAAAAAAT

7695

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CAACTGATTTTGTTTTACATTTTAAAGACGTGTTAAATATGCCTGTAAGAGGAATCCTTTACATTTCAATGTATATGTTTGTACTCCCATAGATCGCTAGTAAAGTATGATATATTGGTATGCTATTTGCATGAA  
GTTGACTAAAAAAAATGTAATTTCTGCACAATTTATACGGACATTCCTTAGGAAAGTGTAAAGTTACATATACAAACATGAGGGTATCTAGCGATCATTCACTATATAACCATACGATAAACGTA

7830

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAAAGGTGGGACTACAAACAAGCAAAATAAATAAATATATGATTCCCTTCTCTTAAAGAGATGTAACTTTGGGATGGAATCATACCTACTAAGAAAATAAATCTAGTGGATAATAAAATTTGGCTGTAAAAACAT  
CTTTCCACCCTGATGTTTGTTCGTTTATTTATTTATATACATAAGGGAAGAGAATTTCTCTAACATTAGAACCTACCTTAGTATGGATGATCTTTATTTAGATCACCTATTATTTAAACCACATTTTTGTAA

7965

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAATTGCCTCAGACCGTTCTCATATTATCCCTTCTGTATTATCTAGAAGACCAAAATATTAATGTTGATTTAATATAGAGATTGTTTTAAAAGAGAAGAGTAAATGTTAGTTTTATAGTATATTTCTATTG  
TTTTAACGGAGTCTGGCAAGAGTATAATAAGGAAGACATAAATAGATCTTCTGGTTTAAATAATTTACACCTAAATATATCTCTAACAAAATTTTTCTCTTCTCATTATACAATCAAAATATCATATAAGGATAAC

8100

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTCGTATGAAAATATGTTTTACTGTCTTTTCTACTTACCATAATATGTTTTAAGGTGTGTGATTATGTTTTAGTATGTAACATTAGCCGCTCTGAGTTTATAGCTTAGAACTGTTTAAATATTAATAGGCCCT  
AGAGCATACTTTTATACAAAATGACAGAAAAGGATGAATGGTATATACAAAATTCACAACTAATACAAAATCATACATTGTAATCGGCGAGACTCAAATATCGAATCTTGACAAAATTTATAATTATCCGGGA

8235

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTAACAACATGAGGCTGTGGAATATGCAGTAGTTAATTTCTTTATTTTCTTTTATGATATACAGTGACTGTTATGATACATATAGTTACATTATATTGAGAAAAATTAACATTTTTAATTAATTAACAT  
TAATTTGTTGATACTCCGACACCTTATACGTCATCAATTAAGAAAATAAAAAGGAAAATACTATATGCTACTGACAATACTATGATATCAATGTAATAAATCTTTTAAATTTGATAAAAATTAATTTAATGTA

8370

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GTTTTGTTGAATCTCATGTAATAACTTGTTTTTTCAGTAAAGATGGCTATATCTAGCCTTGACTCTGATTCTCAGACACCTATTGGGTGTTTCAGCAATTCAGTTCACCTTCTGACGGTAATTTCTAGAGTTAG  
CAAAACAACCTAAGAGTACATTATTTATGAACAAAAGTCATTTCTACCGATATAGATCGGAACAGACTAGACTAAGAGTCTGGGATAACCCACAAGTCGTTAAGTCAAGTGAAGACTGCCATTAATAGATCTCAATC

8505

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGCAGACCCTATAGGTGAAAGACAGTCCACAAGACTGCCTACTTCAGATGCCACTTGAAAGACGAGATTGTGCTTCTGGTGAAGTACTTCTGACTGACCAGGGTTTTCTACAACCTCATCTCAACTTTGAT  
CCGTCTGGGATATCCACTTCTGTGAGGGTGTCTGACGGGATGAAGTCTACGGTGAACCTTCTCGCTTAACACGGAAGACCCTCATGAAGACTGACTGGTCCAAAAGGATGTTGAAGTAGAAGTTGAAACTA

8640

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTCACTAGGACAACTCTCAGAACTCATCAGAGTGTCTTATTTACTGTTACTGGTTTATTTTAAAGTATACAATTAGTAATAGCCAAATGGAAGTGAATCCATAGGTCAAGGGTCAAGGTGGAAGACAGAGCTC  
TTAAGTGATCCTGTTGAGAGTCTTGAAGTGTCTCAGGAAATAAATGACAATGACCAATAAATTTTCATATGTTAATCATATCGGTTTACCTTCACTAGGTATCCAGTCCCAAGCTTCCACCTCTCTGTCTCGAG

8775

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCATGCCCTCTCTGTGTGTCATCTTCTAGCATATCAGTGTGTTACCAATGAGAGGTTCTCTGAATCTCTTAGTAAAGTTTTTTTATAACCTAATCTCAAGCACCACCTCTCTGACATATGGGGGTGG  
GGTACGGGAGAGACACACGGTGAAGGATCGTATAGTACACAAAGTGGTTAACTCTCAAGAGACTTAGAGAAATCCATCCAAAAAATAATTTGATTAGAGTTCGTGGGTGGAGAGGACTGTATACCCCAAC

8910

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGTTAAAAGTTCCACCCCTTTAGTCAAGTGTGGTCTTTCTGGTGACTAACCTCATCCTGAGGCTATCAGCTACCCCTCCACACCTACCCCATATACCTCAGATATGGTACAAGAAGCTTGTGGTGAATAACAA  
TCAATTTCAAGGGTGGGAAATCAGTTCAAAACCGAAAGACCACTGATTGGAGTAGGACTCCGATAGTCGATGGGAGGGTGTGGATGGGGTATATGAGTCTATACCATGTTTCTCGAACACACCTTATTGTT

9045

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGACATTCCTATCATTACAGAAATCCAAGGGTTTTAGGCCCTCTGTGCCAGGCACCCAGGATGAAGACCACTTTATATTTTTAATATCACCCCTCGTAATGAAAAAAAATGTATGTAGATAGAATTTAGAT  
TTCTGTAAGGATAGTAAGTCTTTAAGGTTCCCAAAATCCGGGAGACACGGTCCGTTGGTCTCTACTTCTGGTGAATAATAAAAAATATAGTGGGAGCATTACTTTTTTTTTTACATACATCTATCTTAAATCTA

9180

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTTAACTTTCAGCAGTTGCTGTGCACCTGTGTCAATTTATCTGGCCACAGTTTAACTTCTGAGTATAGTGGCTTGTCTTTCTGAGCAGTATTGTTGTAGCTTGTATAAGACCATCATCACCCAGCATGGTGGC  
GAATTGAAAGTCGTCAACGACACGTGGACACAGTTAATAGACCGGTGTCAAATGAAGACTCATATCCCGAACAGAAAGACTCGTCATAAACATCGAACATATTCTGGTAGTAGTGGTGGCTCGTACCACCG

9315

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCACACCTGTAATCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGTTGGATCACCTGAGGTCAGAAAGTTCGAGATCAGCCTGGCCAAACATGGTAAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACCTAAAAATACAAAAATTAGCCAG  
AGTGTGGACATTAGGGTCGTGAAACCCCTCCGGCTCCGCCAACCTAGTGGACTCCAGTCTTCAAAGCTCTAGTCGGACCGGTTGTACCACTTGGGGCAGAGATGATTTTTATGGATTTTTATGTTTTAATCGGTC

9450

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCATGGTGGCGCATGCCTGTAATCTCAGCTACTTGGGAAAGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGCGAACCGAGATCATGCTGTTGACTCCAGTCTGGGTGACAAGAGCAAACTCCATCTCAAAC  
CGTACCACCGCGTACGGACATTAGAGTTCGATGAACCCCTCGACTCCGTCCTCTTAGCGAACTTGGACCCCTCCGCTTGGCTCTAGTACGACAAACATGAGGTCAGACCCACTGTTCTCGTTTTGAGGTAGAGTTTTG

9585

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAAACAAAACAAACATCACTATCTGATACTGTCAATTCATCTTATACTAGTTGAGTTTGGGAGTCCCTTAGTCCCTTAGTACACAAAGGGGTTGACTCCAGAAGTTCATTTATTATTTAAGTTAAAAATTAGA  
TTTTGTTTTGTTTTGTTAGTGATAGACTATGACAGTTAAGTAGAATATGATCAACTCAAATCCCTCAGGAAATCAGGAATCATGTGTTTCCCAACATGAGGTCTTCAAGTAAATAATAAAATTCAAATTTTTAATCT

9720

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCACATTTCTATGGAACAGTGGGGTAAGTGGTAAATGTTTTTATATCAGTCCATTGGCTTTGACAAAATAGGGAAGTAAGTCCAAAAGAGGATCGAGTGTGTTGGGTGTTGGCGGATGAAGAGGTTTCATGA  
CGTGTAAAAGATACCTTTGTCAACCCATTACCATTTACAAAAAATATAGTCAGGTAACCGAAACTGTTTATCCCTTCATTCAGGTTTTCTCTAGCTCACAAAACCCCAACCCGCTACTTCTCCAAGTACT

9855

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCTTTGAAAGACAGGGAATGAGAGCATTGTTGTTATTTGGGGTCAGCCATAGATGTCTGAGGAAAGATGTGATTATGGGCTGAATTTGCCCCCTGCCTCCCAAAATTCATATGACAAAAGCTCTGACCAC  
AAGGAACTTTCTGTCCCTTACTCTCGTAAAAACAATAAACCCAGTCGGATATCTACAGACTCCTTTCTACACATAATACCCGACTTAACAGGGGGGACGGAGGGTGTAAAGTATACTGTTTCGAGACTGGTG

9990

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCATGTGACTGTATTTGGGGATAGGGCCCTTAAGTATGTAATCGAGGTTAAATAAAGTCAGATGGGGCCCTGATTCAATGACTGCTATCCTTAGAAGAAGAGAAAGATCCACAAGGAAAAGGCCATCTGAGAACA  
AGTACACTGACATAAACCCCTATCCCGGAATTACATACATTAGCTCCAATTTATTTCACTACCCCGGACTAAGTACTGACGATAGGAATCTTCTTCTCTTTCTAGGTGTTCTTTCCGGTAGACTCTTG

10,125

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CAGCAAGAAGGTGGCCATCTGCAAGGCCAAGGAGAGAGGCCCTCAGGAAAAATTAACCTGCTGGCACCTTGACTCCTTTACGCCATCTGAACTATGAGAAAAACGTTTTTCATTGTTTAAAGCCATCTACTTTGGCA  
GTGCTTCTCCACCGGTAGACGTTCCGTTCTCTCTCCGGAGTCCCTTTAATTTGGACAGCCGTGGAACTGAGGAAAGTGGTGAAGTACTCTTTATGCAAAAAGTAAACAAATTCGGTAGATGAAACGCT

10,260

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TATTTTCATTGTTGGCAGCCCTGGCAAACATAACAGCATGTTCCAATCCATGCTCTAGGGGACACTAGTATCTAGGAAATATTAATAGATATTTCTTAAAACAGTCTTCTTAATACGTTTGGTCAATAATCTATGAT  
ATAAAGTAACACCGTCCGGACCGTTTGATTATGTCGTACAAGGTTAGGTACGAGATCCCTGTGATCATAGATCCTTTATAATATCTATAAAGAATTTTGTCAAGAATATGCAAACAGTTATTAGATACTA

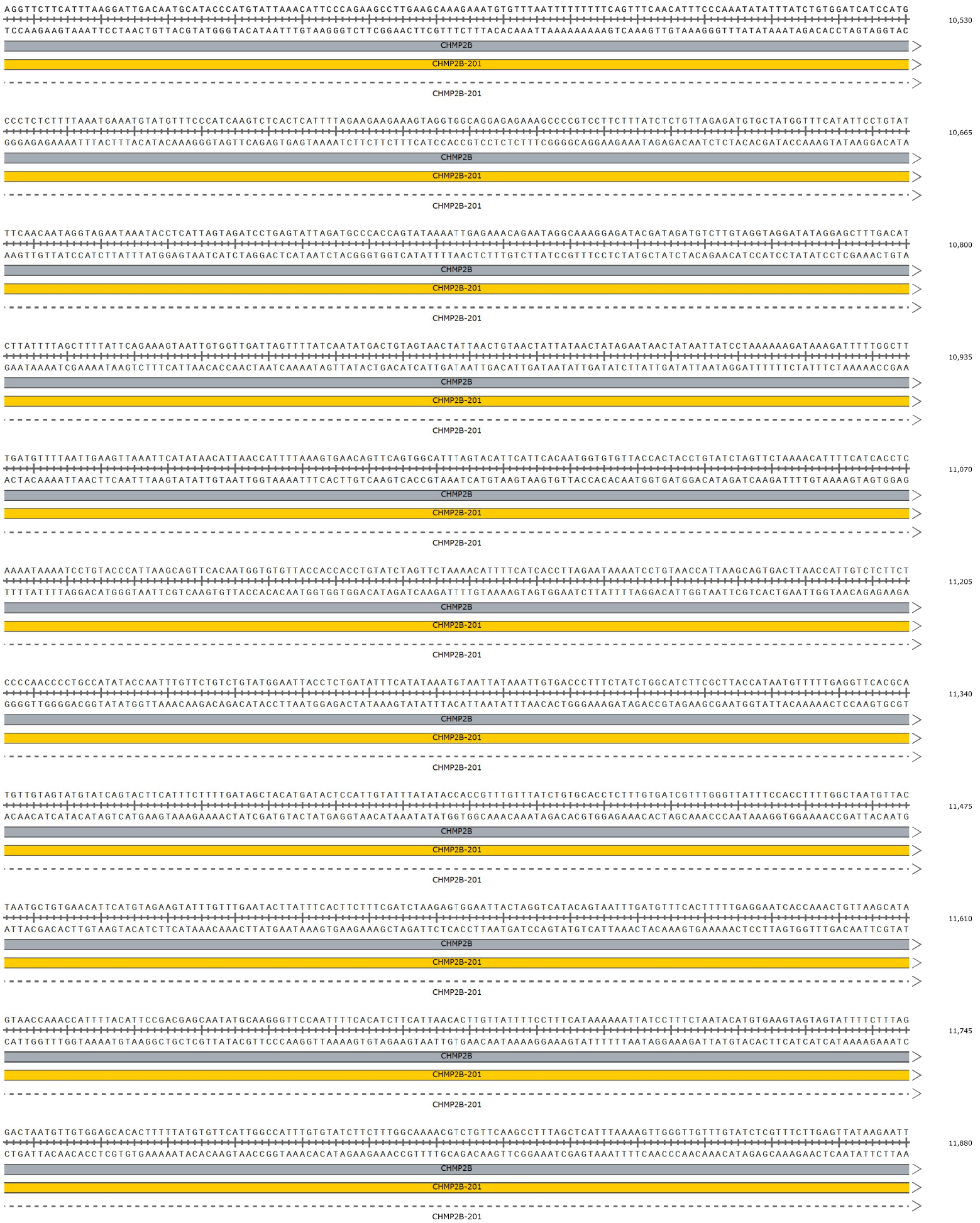
10,395

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201







TTTATATATTCTGCATACCAAACCTTTATCAGATATATTTGTTGTCATATATTTCTCTTATTTCTATAGGTTGTCTTTTTCACCTAATAAATGTTCTTTAAATGCATAAAATTTTAAATTTTCCAAAGTCCAATTTA  
AAAAATATAAGACGTATGGTTGAGAATAGTCTATAAACAACGTATATAAAAGAGAATAAGATATCCAACAGAAAAGTGGATTATTAACAAGAAATTACGTATTTTAAAAATTTAAAGTGGTTCAGGTAAAT

12,015

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTTTTTTCTTTTCTTTTATGCTTTTAAATGTCATATTTAAGAATGTAATGCCAAATCCCAGGTCATAAAGATTTACTTCTATGTTTCTAAGGTTTAGCTCTTACATTTAGGTTATTGGTCTTTTTGAGT  
AGAAAAAAGAAAACAAAGAAATACGAAAATTACAGTATAAAATCTTACATTACGGTTTAGGGTCCAGTATTTCTAAATGAAGATACACAAGATTCCAATCGAGAATGTAATCCAATAACCGAAAAAATCTCA

12,150

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAATGTTTGTATACAGTGTGACGTAAGGTTCCAACCTTTATCTTTTTCATGTGGATGTCAGATTTCCAGTACTATTTGATGAAGAGACTGTTCTTTCTCCTGTTGTTGTTGTTTTAAATCTCTTTATAAAA  
ATTACAACATATGTCACACTGCATTTCAGGTTGAAATAGAAAAAGTACACCTACAGGTCAAAAGGTCATGATAAATCTCTCTGACAAGAAAGGAGACAACAACAACAAAAATTTAGAGAATAATTTT

12,285

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGTTAGCCTAGTAAAGTAGTAAAGTACTGCTTCAAGAGACAGAATGGTTGGATCCAACCAATCTGTTGTTACTACTTGTCTATCTATGTGGCTTTGGGCAAGTCACTTAGCCTTCCAACTGAGTTTTCTT  
TCAATCGGATCATTTCATCAATTTAGTGACCAAGTTCTCTGCTTACCAACCTAGGTTGGTTAGACCAATGATGAACGATAGATACACCGAAACCCTTCAAGTGAATCGGAAGGATTGTAACCTCAAAAAGAA

12,420

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTAATAAATACTTTAATTTCTTCAAAGGTTAGGTCAAAGAATCCAATGAATTCAGATAAATAGAAAAGTACTATAAATGAGAGGATCTTGCAGTTATCAGAGCATTGTATGTTATTTACTCCTTACTAT  
TTAATTTTTTATGAAATTAAGAAGTTTCCATCCAGATTTCTTAGGTTTACTTAAAGTCTATTTAATCTTCTATGATATTAATCTCCTATGAACGTCATAGTCTCGTAAACATACAATAAATGAGGAATGATA

12,555

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTTTTTTATGAAAAAGAAAGCTGAGGTTTCGAGTATTAATAACTCTTCCAAGGTATAATCATGATGATCAAGTGGCTGAGGTGAGATCCAATCCAGATCTGCCTCATTGAAAGTCTGGTGTTCAGTCTGT  
GGAAAAAATACTTTTCTTTGACTCCAAGGCTCATAATTGATTGAGAAGGTTCCATATTAGTACTACTAGTTCAACGACTCCACTCTAAGTTTAGGCTAGACGGAGTAACCTTTTCAGACCAAAAAGTTCAGACA

12,690

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAATATTTACTGCAGAAAACAAACAGATTTAATAAACAATAACTGCTTCTCTCCTGAATTTCATATAGTATTAGAGTAAGGAAACATGAAAAGGGTGTGTGTGTGTGTGACATATATATGCTATATT  
ATTATAAATGACGCTTTTGGTTTGTCTAAATATTGATATATTGGACAGAAGGAAAGGACTTAAAGTATATACAATCTCATTCTTGTACTTTTCCCACACACACACACACTGTATATATACACGATATAA

12,825

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAACACTATACTAATCAGTTCTGTAGGGGAATATTTTATTGATGTAATACTTTTGGTTAAATCTCAGACTGTAGCATATTTGCATTCACCTGCTATCAATCTTTATATTTTTTAAATATTATAAATTCAGGT  
TTTGTGATATGATTAGTCAAGACATCCCTTTATAAATAAACAACACTACATTTAGAAACCAATTTAGAGTCTGACATCGTATAAACGTAAGTGGACGATAGTTAAGAAATATAAATAAATATAAATTAAGTCCA

12,960

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTAATATTTAATTTTTTAGCATATTAAGTAAAAAAAATTTTTGACATCTAGTAAATCTAAGGGTTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGAGTTTCGCTGTTGTTGCCAGGCTGGAGTCTGGAGTGC  
AAATTATAAATAAAAATCGTATAAATTTCAATTTTTTATAAAACTGTAGATCATTTAGATTCCAAAAAAAACAAAAAAAACCTCTGCTCAAAGCGACAACAACGGTCCGACCTCACGACCTCAGC

13,095

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATGGCATGATCTCGGCTCAACGCAACCATCACCTCCAGATTTCAAGCGATTCTTACCTCAGCCTACCGAGTAGCTCGGATACAGGATGTGCCACCACACCCGGCTAATTTTCTATTTTTAGTAGAGATGG  
TTACCGTACTAGAGCCGAGTGCCTTGGTGTGAGGCTCTAAGTTCGCTAAGAAGATGGAGTCGGATGGCTCATCGAGCCTAATGTCCTGACAGGTTGGTGTGGCCGATTAAAGATAAAAAATCATCTCTACC

13,230

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGTTTCTCCATGTTGGTCAAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCAAAGTGTGCGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCAGCCAATAAAGATTTTTTAAATCATGATCTGTGAATCCAGT  
CCAAAGAGGTACAACAGTCCGACCAAGCTTGAGGACTGGAGTCCACTAGGTTGGTTTTCACGACGCTAATGTCGACTCAGGTGACGCGGGTGGTTATTTCTAAAAAATTTAGTACTAGACACTTAGGTC

13,365

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

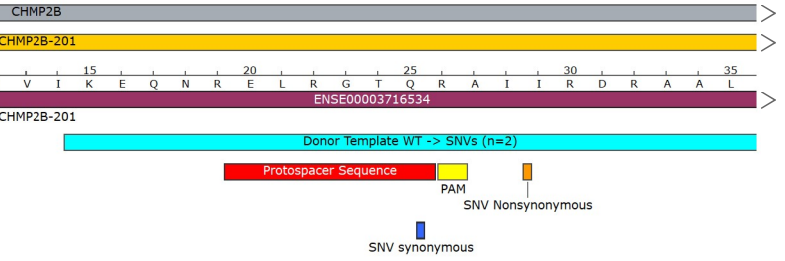
PCR Reverse  
gcgccagccAATATAAGAT

gRNA Protospacer  
AGAGTTACGAGGTACACAGA

Donor Template WT -> SNVs (n=2)

ATTTTAAATGATATTGAAAATTTTACAACCCATAAAATTTAGGTTTCTTTTGTGATTCTCCTAGATGTAATAAAAGGAACAGAATCGAGAGTTACGAGGTACACAAGGGCTATAATCAGAGATCGAGCAGCTTTAG  
-----  
TAAAATTTACTATACTTTTAAAAATGTTGGGTATTAAATCCAAGAAAAACACTAAGAGGATCTACATATTTCCCTTGCTTAGCTCTCAATGCTCCATGTGTCTCCCGATATATGCTCTAGCTCGTGGAAATC

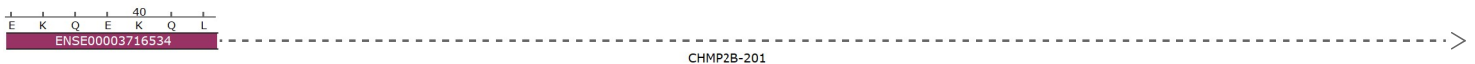
13,500



Donor Template WT -> SNVs (n=2)  
AGAAACAAGAAAAACAGCTGGT

AGAAACAAGAAAAACAGCTGGTAAAGTAGAACGTTAAATTTTCAGTTTAACTTTTCAAACAAATTTGAAAAATTAAGTCTAGGAAATAATTAGCTAACTAGGAAGAAAGGCACATGGCAGGTGGTAAGTGATTACTTAAT  
-----  
TCTTTGTTCTTTTGTGCGACCATTCATCTTGAATTTAAAGTCAAATGAAAAGTTGTTTAAACCTTTAATGACATCCTTATTAATCGATTGATCCTTCTCCGTGACCGTCCACCATTCACATAAATGAATTA

13,635



Donor Template WT -> SNVs (n=2)

TAAGAAATGGCAGTTAATGATTTTTGTATCTTCTGCTTACCTTTGTTTATTGTGTCATTCTGCTGACTTTTATGGGATTCTGTGATTCTGTTGATTATAGAATCAAATATTTCTCAGTTTGTGAGAGTCATA  
-----  
ATTCTTTACCGTCAATTAATAACATAGAAAGACGAATGAAACAAATAACACAGTAAGACGACTGAAAATAACCTAAGACACATAAGACAACTAATATCTTAGTTAATAAAGAGTCAAACACTCTCAGTAT

13,770



AGTATCTAGGAAGAAAGATTGCTCAAGACAGAACCACCTTCTTAGTTAACAGGAAGATGAAATAGTCATGAAAACAAAGGAAGGTTATTTAAAAATACATTAACCTCATAGGAGTCTTGCTTGATATTTTAA  
-----  
TCATAGATCCTTCTTCAACGAGTCTGCTTGGTGAAGAATCAATGTCTCTACTTTATCAGTACCTTTGTTTCTTCCAATAAAATTTTAAATGTAATGAGTATCCTCAGAACGAATAAAAAAT

13,905

GATCGTTGTGCTTTGACAATGAATGTACTTTTATAATAGACTGGTCTGGTTTCAATTTTAAATATCTTTATGCTATGTTTTATGTTATGTTGCTCAAACTTTTAAAAAATATCTTTATTGAGGATAATTC  
-----  
CTAGCAACACAGAAACTGTTACTTACATGAAAATATTATCTGACCAGCAAGTAAAAATTTAAGAAATACGATACAAAAATACACATACAAACGGAGTTTAGAAATTTTATAGAAATAACTCCCTATTAAAG

14,040

ACATGCAATAAACTGTACATATTTTCAGGTGTACAATTTGATAGGTTTTGACATATGTATAAACTCGTGAACCATTTTACAGTTAAGGTAATGAACATACCCATCTTCCCTAAAAGTTTCCTTATGCCCTG6  
-----  
TGTACGTTATTTGACATGTATAAAGTCCACATGTTAAACTATCCAAAACTGTATACATATTTGAGGACCTTGGTAATAATGTCAATTCATTACTTGTATGGGTAGAAGGGATTTTCAAAGGAATACGGGGACC

14,175

AAATCCCTCCTACGCATCCCTGCCGTCTCCCTTTTCTGTTGAAGCAAACTACTGATCTGTCTGTAGATTACTTTTCATTTCTAGAAATTTATATAAATGGAATCATATAATATCAACTCCTTTTTATGGC  
-----  
TTTAGGGAGGATGCGTAGGGACGGACAGAGGGAAAAAGGACCCTTCGTTTATGACTAGACAGAGACATCTAATAAGTAAAGATCTTAAAATATATTTACCTTAGTATATATAGTTGAGGAAAAAATACCG

14,310

ATCTTTTCATTCAGCATAATTTTATAGGTTAATTTAGTGTCTTTCATGCTATTGTTAATTAATTTTATTTGATGAGTATTATTCAATGTTTGAATATTTCAAAATTTGTTTATCTGTTTACCAGCCAGTGG  
-----  
TAGAAAGTAAGTCGTTAATAAAAAATCCAATTAATCACGACAAAGTACGTAATCACAATTAATGAAAAATAACTACTCATAAATAGTTAACAACCTATAAAGTGTAAACAAATAGACAAATGGTCGGTCAAC

14,445

ACATTTGAGTTGTTCCAGGTATTGGTTATTTGAATAAAGTTACTTTAAACATTCATCAAAGTTTTTGTGAACATGGTTTTTCATTTTCTTGGGTATATTCCTGAGAGTGAGATTGCTGGGTCATAGGGTAAAT  
-----  
TGTAAACTCAACAAAGGTCATAACCAATAAATTTTCAATGAAATTTGTAAGTTAGTTTCAAAAACACTTGTACAAAAGTAAAAAGAACCCATATAAAGGACTCTCACTCTAACGACCCAGTATCCCATTTA

14,580

CHMP2B-201



GTATGTTTAACTGCTAAAAAATAAAATAAAGTGCTGAAAAATTTGCAGAGTGCCGTGATGTTTTCTTCCCATAGCAATGATGAAAGTTACAGTTGTTTCACATACCTTGGAGTTGACAGTCTTTAATTT  
CATACAAATTGACGATTTTTAATTTAATTTACGACTTTTTAAACGTCTCACGGACACTACAAAAGAGAGGGTAACTCGTTACATACTTTCAATGTCAACAAAGTGATGAACCTCAACTGTCAGAAATTA

14,715

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGCCATTTTAGTGGGTGTATAGTACGTTGTCATTTTAAATTTTCATTTTCATAATCACTAATGATGTTGAACATCTTTTATATACCTGTTTACCATTACTTATCTTTTTGCCAGAGTGCTATTCAAATATT  
ATCGGTAAAATCACCCACATATCATGCAACAGTAAAATTTAAAGTAAAAGTATTAGTGATTACTTACAACTTGTAGAAAAATATATGGACAATGGTAAATGAATAGAAAAACGGTCTCACAGATAAGTTTATAA

14,850

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTACCCATTTTTTCATCAAATGTTTTCTTACTTAGTTACAATAGATTTTTATATATTGTGAAACAAATGCTTTTAAAGTATATGTTGTACAAATATTATTTCCAAGTCTTAACTTGTCTTCATTTTCTT  
AATGGTAAAAAGTAGTTTAAACAAAAGAAATGAATCAATGTTATCTAAAAATATATAACACCTTTGTTTACGAAATAATTCATATACAACATGTTTATAATAAAGGTTCAAGAATTGGAACAGGAAGTAAAAAGGA

14,985

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGTGTGTTTTGAGGAATGAAAGGGTTTTTGGGTTATTTTGATCAAGTACAATTTTTATTCTTTTATCTTTTTCAATGTTGGAGTTTCTTACAAACGTC AATAGGTCAAATGGTGATAGTGTTTTTCTA  
TTACACAAAACCTCCTTACTTTCCAAAAAACCAATAAACTAGTTTCATGTTAAAAATAAGAAAATAGAAAAAAGTTACAACTCAAAGAATGTTTGCAGTTAATCCAGTTTAACTCATCACAAAAGAT

15,120

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGTCTTCTGTATCATTGCAGATCTTCTGTCTACTTGTGCAATTAGAGTGATACATAAGAGTGGAGTTGTTAATATTTTCATCCTTTTTCTGTGATTAGTACTTTTAGTGTACTACTTAACTTTTAGTGTAC  
TCAGAAGACATAGTAACGCTTAGAAGACAGATGAACAGTGTAACTCTCACATATGTTTCTCACCTCAACAATTTAAGAGTAGGAAAAAAGACACTAATCATGAAAATCACATGATGAATGAAAATCACATG

15,255

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGCCACGAGTGCCTAACCTCATAGTCAGTAATTTTTCTCCTATGTTTTCTTCTAGAAAATTTACAGTTTTAGTCTTACATTTAAAACGTGAACCATATTGAATTAAGTTTCAGTATGGTGTGAGGTAAAGGT  
ATCGGTGCTCACGGATTGAGTATCAGTCATTATAAAAGAGGATACAAAAGAAGATCTTTATAATGTCAAAATCAAGAATGTAATTTTGACACTTGGTATAACTTAATTCAAAAGTCATACCACAGTCCATTCCCA

15,390

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGAGGTTCACTTTTTGCATATGAAAAGTCAGTTGTTTCAACATAATTATTGCTGACACTTTCCCTTGTGCTTTTGGGAAAATCAGTTGTCCAAACGTAGGCATCTTCTGGGCTCTGTTCCATTGATTTACAT  
TCTCCAAGTAAAAACGTATACCTTTCAGTCAACAAAGTTGATTAATAACGACTGTGAAAGGGAAACAGCAGAAAACACCTTTTAGTCAACAGGTTTGCATCCGTAGAAAAGCCCGAGACAAGGTAACATAATGTA

15,525

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GACTGCTTTTAAAGCTAATACCGCATTATTTTTGTTAATAAAGGTTTAAATAAGTCTAAAAGTTAGACAGCATTAACTCCTTCCACTTTGTACTTCTTTTTTCATAATTGTTTTGGCTATTTTAGGTGCTTTGCAAT  
CTGACGAAAATTCGATTATGGCGTAATAAAAACAATTTTCCAAATTTATTCAGATTTTCAATCTGTCGTAATTAGGAAGGTGAAACATGAAGAAAAAAGTATTAAACAAAACCGATAAAATCCACGAAACGTAA

15,660

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTATAGGAACTTTAGAATACAAATCAATTTCTACAAAAAAGATCAGATTTTGATTGGGATTACATTGAATAGTTACATATTAACATTGTGTCATAAGACATATTAACATAATGTTAGTTAACATTAACAGAAGA  
AGATATCCTTGAATCTTATGTTTAGTTAAAGATGTTTTTCTAGTCTAAAAC TAACCTAATGTAACTTATCAATGTATAATTGTAACACAGTATTTCTGTATAATTGTAATTAACATCAATGTAATTGCTTCT

15,795

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATATTAACATATGCTTCTGACCTATGAAGTTATTATGATCTCTCCATTATTTAGATCTCCATTTATTTAGACTTTCAACTTTTCTCAGCAGTGTTTTGTACTTGTGAAATGGTTGTGGTTTTCTTTTT  
GTATAATTGTAATACAGAAGACTGGATACTTCAATTAATACATAGAGAGGTAAATACTAGAGGTAAATAAATCTAGAAAGTTGAAAGGAGTGTGCACAAAACATGAACAACCTTACCAACACACAAAAGAAAAA

15,930

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGTCTGTCAATACAGTGAATTACTTTGATTATCAAAAATGAATCAACCTTTTGTCCAGGGACACACCCACTTGGTAATGATGATTTTTTTAATGATTTTTTCAGTTTGTGAAATTTAAGAAATCTGCG  
ATCAGACAGTTATGTCACCTAATGAAACTAATAGTTTTTAACTTAGTTGGAAAAAAGGTCCTGTGTGGGGTGAACCATTACTACATAAAAAAATACATAAAAGTCAAACGACTTTAAAAATCTTATAGACG

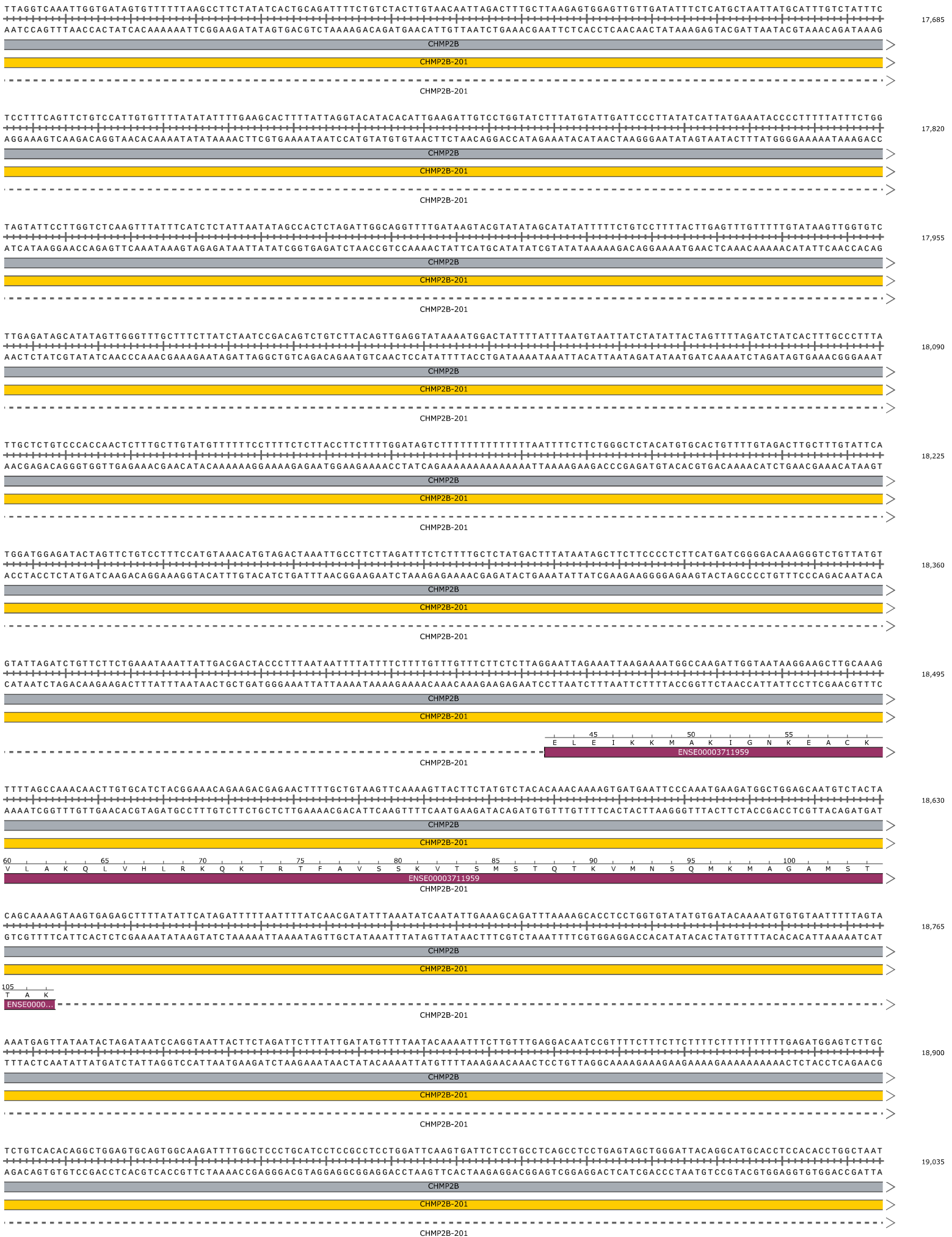
16,065

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201







TTTGTATTTTGTAGTAGAGCGAGGTTTACATGCTGGCCAGGCTGGTCTTAAACTCCTGATCTCAGATGATTCGCCCTGCCCTCAGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGACATGAGCCACC GCGCCAGCCAACA  
AAAACATAAAAATCATCTCTGCTCCAAAGTGTACGACCGGTCCGACCGAATTTGAGGACTAGAGTCTACTAAGCGGACGGAGTCCGAGGGTTAACGACCCATAATGTCTGTACTCGGTGGCGCGGTCGGTTGT

19,170

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATCCCTTTTCTAAAGATCACATGTAGCTTCTAATTTTATGAAATGACTTTTAAAGTATTTGCTTTTTCCCTCAAATGTCAGAAGATTTTGTGACCTTCTGTCTCATTATATGTTCTGACTACTTTTGAG  
TAGGGAAAAAGATTTCTAGTGTACATCGAAGATTAATAACTTTAACTGAAAATTTTCATAAACGAAAAAAGGGGAGTTTAAACAGTCTTCTAAAACCTGGGAACAGAGTAATATAACAAGACTGATGAAAACTC

19,305

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGATAATTTCTCTTGATTCATTTTATGAATGTGTGAGAAGGTCACATGAATAAAGAAAGATTTATCAGAATGTTTGTCTAGAAGCTTATGTTTAACTTACTGTATACACACACAACACATTTTCTATATC  
ACTATTAAGGAGAACTAAGTAAAAATACCTTACACACTCTCCAGTGTACTTATTATTTCTTTCTAAATAGTCTTACAAACAGATCTTGAATACAAAATGAAATGACATATGTGTGTTTGTGTAAGAAAGATATAG

19,440

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTAATCAGTGTTTTACTGTAGTTTAAAGGACTCTGAGTCTTTCACTCATTTAATAAATAAGGACTCCTTGATAGTGTAGTCATCAAAGAGGTTAAGACAGAAACTGTGCTTTCACAAAATTTTATAGTTCA  
ACATTAGTCACAAAATGACATCAAATTTCTGAGACTCAGAAAGTCAGTAAATATTTATTTCTGAGGAACTATGACAATCAGTAGTCTTCTCAAATCTGTCTTTGACACGAAAGTGTAAAAATATCAAGT

19,575

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTGGAGGCTTAAGATATGTCTCTTGGAACTACCCACTATATATCAGTCATGCTAAGCTTTATGAACTGCACAGACCTTTGAGTAGGGTGATCTAAAAGACATTCGATAAGACAAAGGTTTTAAGAATATCATT  
TAACCTCCGAATTTCTATACAGAGAACCCTGGATGGGTGATATATAGTCAGTACGATTCGAAATACTTTGACGTGTCTGGAAACTCATCCACTAGATTTCTGTAACTGATTTCTGTTTCCAAAATTTCTTATAGTAA

19,710

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGATGTTAGCTGTACAGAAGAGGGATTGTGAATATGAAGTCAAAAAGAAAAAATAGCCTCAGAGGAAAGTACAAGCTTTATGTTAGGGAAATGGTATACACAGGCAATTTATGTTATTCATAGTAGTTATGTCT  
TCTACAATCGACATGCTTCTCCCTAACACTTATACTTACGTTTTCTTTTTTATCGGAGTCTCCTTTCATGTTCAAAAATACAATCCCTTTACCATATGTGTCCGTTAAATACAATAAGTATCATCAATACAG

19,845

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCATGAAAGTCGGGAACACTGAAATAGTGCATATTGAACCATTGCTCCCAGGGGAAACTGAGTTATATTTCTGTGAGCCTTTGCCACAACTTTTTTTCATTACCTAATCTGTACCTAACTAACCTTGTGTTTC  
GGTACTTCAGCCCTTGTGACTTTATCAGCTATAACTTGGTAACGAGGGTCCCTTTTATGACTCAATATAAGACACTCGGAAACGGGTGTGCAAAAAGTAAATGGATTAGACATGGATTGATTGGAACACAAG

19,980

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTTTAAAGATGCCATATTTAATATATAGCTGATTTGCTCATATTGAGCTTATGACTAATGGGACTATACCTCATTCTGGAACAAGCTTATCTAACGTGATTTTCTCCATAAAGCACATCATGTCTCTCTTC  
ACAAAATTTCTACGGTATAAATTTATATATCGACTAAACGAGTATAACTCGAATACTGATTACCCTGATATGGAGTAAGACCTTGTTCGAATAGATTGCACATAAAAGAGGTATTTCTGTGTAGTACAGGAAGAAAG

20,115

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACTTAGGAACACTGGGCAGCATGTTAATACAATGCTTGGGGATCATTTTTTATCAGTGAATCACAACAAAAAGCACAAAAGTGAAGAAAATGTGACACTAAGTAAACTATGGAAAGGACACTTAATTTGCAGT  
TGAATCCTTGTGACCCGTGTCACAATATGTTACGAACCCCTAGTAAAAATAGTCACTTTAGTGTGTTTTCTGTTTTCACTCTTTTACACTGTGATTCATTTGATACCTTTCTGTGAATTAACGTCA

20,250

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGAAGGCGAACAATCCCCTTGTGTTGACCTCAGCTGGAATGTGCATGTTGGGTGACTCACATGTTTGTGCTTTGTAATGTACAGATGAGCATTAAAACACTGCAGGTAATTCATTGGAGTTACAATAAAA  
TTCTTCGCTCTGTAGGGGAACAACCTGGAGTCGACCTTTACACGTACAACCCACTGAGTGTACAAAACGACGAAACATTACAGTGTCTACTCGTAATTTGTGACGTCCATAAAGTAACTCCAATGTTTATTT

20,385

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

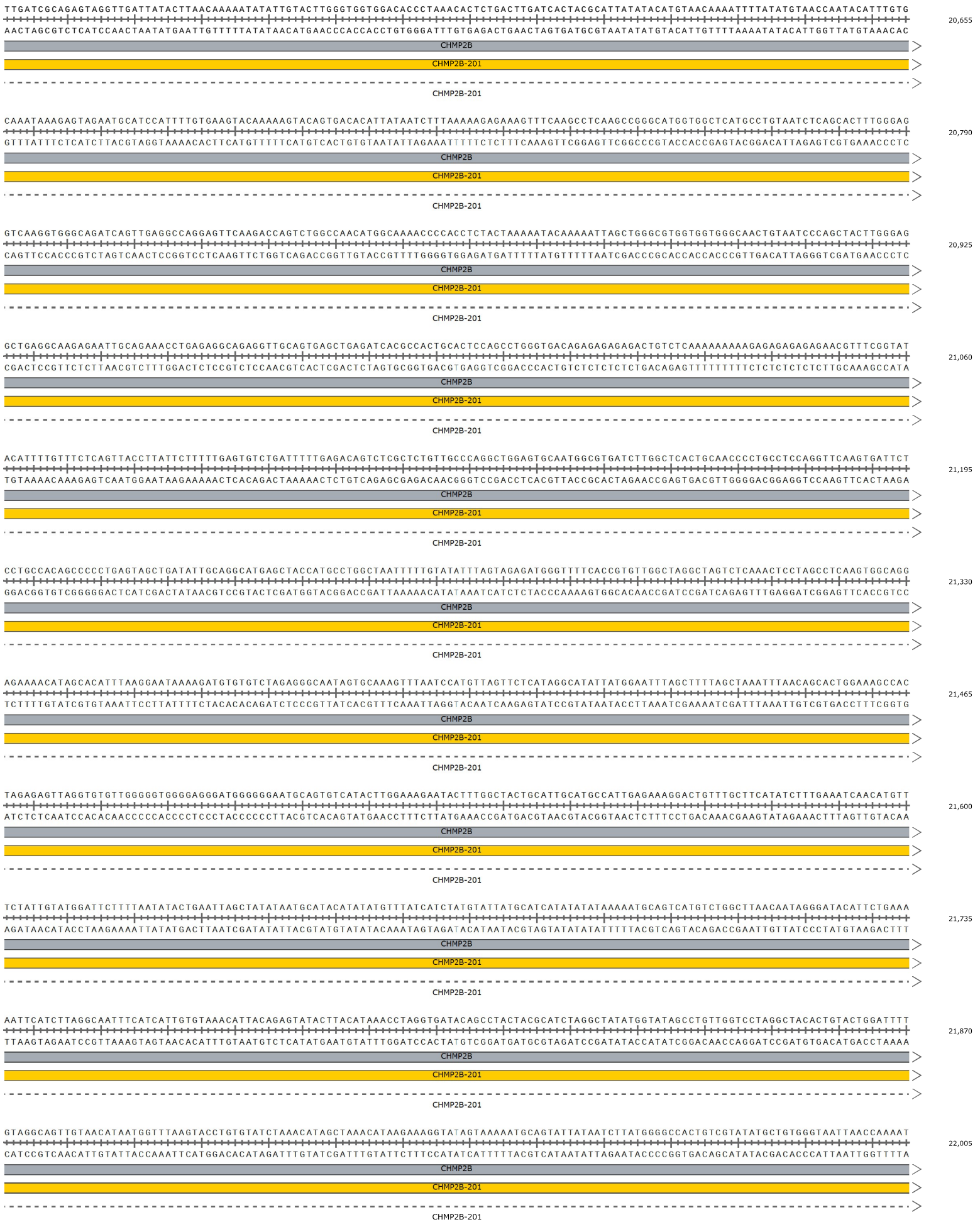
TTTTAATGAGTAGGTAATTTCTCAGATATGGAATCTACAATAAGGAGTATTAAGTGAATTTGACATTTAGACAGCAGAGCACATGAAAGTCGAGTGTGTGCAACATACAGTTAGAAGGAATAAATCAATCT  
AAAATTAATCATCCATTTAAGAGTCTATACCTTAGATGTTTATTCTCATAATGACATTAACGTAAAACTGTGCTGCTCGTGTACTTTCAAGTCACGACAGCTTTGTATGTCAATCTTCTTATTTAAGTTAGA

20,520

CHMP2B

CHMP2B-201

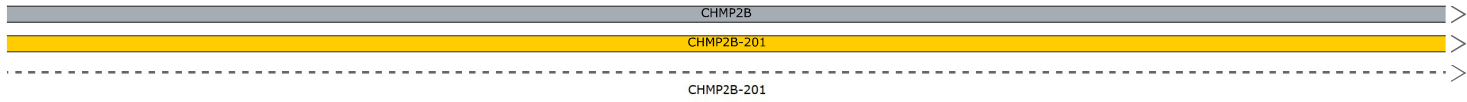
CHMP2B-201





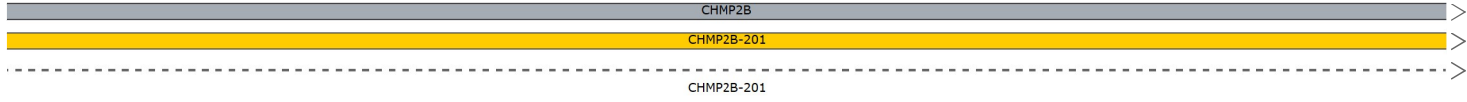
GTAAGCACATGAAACATGATTGTAATAAATTTTGGTGGTACTAGAGAACATGAATCTCTTAATGAAATGAGTTGGTGAATATATAATGTAAGAGAAATGTTTTTCACATAGTTTTTCAAAGCTCACATTTTTATAT  
CATTTCGTGACTTTGTACTAACATTTATTTAAACCACCATGATCTCTTGTACTTAGAGAATTACTTTACTCAACACTTATATATTACATTCTCTTAACAAAAGTGTATCAAAAAGTTTCGAGTGTAATAATA

22,140



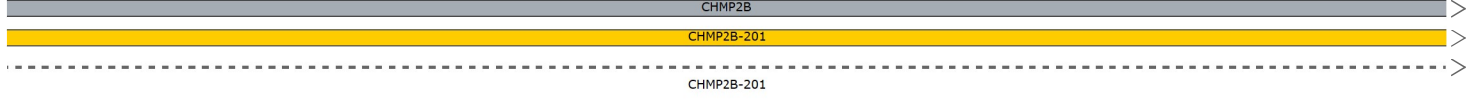
TTTTTAAACCATGGTTTAAATGTTAATAGATTAAAGTATATATGCTAGTATATCTTCTAATCTTTTTTAATTTAGACATTAATAATTTAATGAAAGTTTTTATAAAAAATTAATTTAAAAATTTATTGACAT  
AAAAAATTTGGTACCAAAATTTTACACAATTATCTAATTCATATATACGATCATATAGAAGATTAGAAAAATTAATCTGTAATTTTAAATTACTTTCAAAAATATTTTTAATTTAAATTTTAAATAACTGTA

22,275



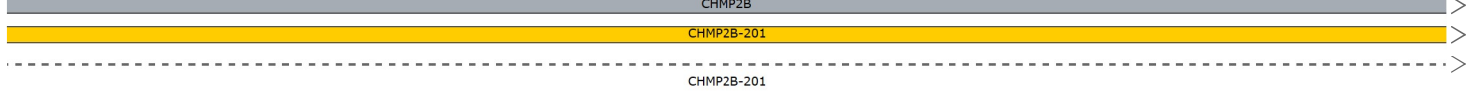
TACCTACTTGCCACAAAAACAGGTAATTTTTATTTTCTATTTGAATAGCAAAGGATTTTATGCTGATAATGTTTTTATTACATAATTCCTTGCCTGCTGTTTCAGATGAGGTTTTTACACTGGTCTTTATTAT  
ATGGATGAACGGTGTTTTTGTCATTTAAAAATAAAGGATAAATCTATCGTTTCTAAAAATACGACTATTACAAAAATAATGATTAAGGAACGGACGACAAGTCTACTCCAAAAAGTGTGACCAGAAATAATA

22,410



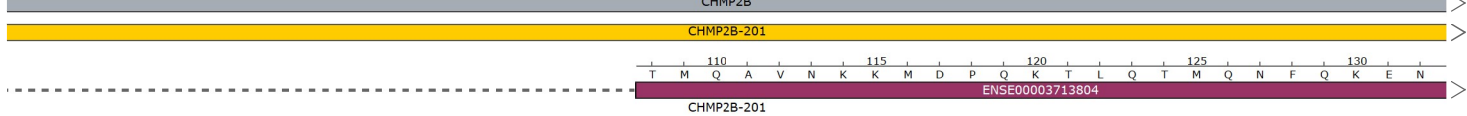
ATAGATGTTAAGCAGATGGTTTCCAAATGACTATTTTCATTTTTTCTAGAATATTTAAACAGTCTATGTTTGATTACGGCAGGATGGATATCTTTTAAAGCCATCTATATTTGATGTGTTCCCTTTTGACTTAT  
TATCTCAAATTCGTCTACCAAAGTTTACTGATAAAGTAAAAAAGATCTTATAAATTTGTCAGATACAACTAATGCCGCTCTACCTATAGAAAAATTTCCGGATAGATATAAATACACAAGGAAAACTGAATA

22,545



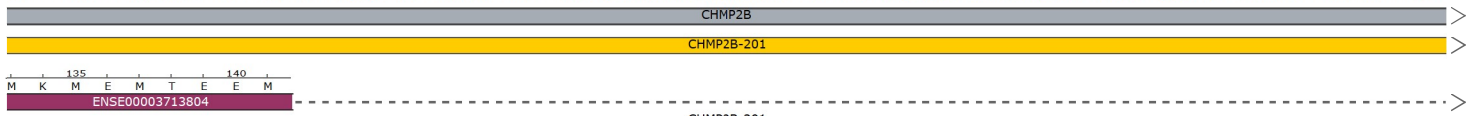
TTCATAGTAAAAATTTTCATAATTATGGAAGTAACATGAATCTTGTAAATACATTTAAAGACAATGCAAGCAGTTAACAGAAGATGGATCCACAAAAGACATTACAAACAATGCAGAAATTTCCAGAAGGAAAAACA  
AAGTATCATTTTTAAAAGTATTAATACCTTCATGTAAGTAAAAAAGATCTTATAAATTTGTCAGATACAACTAATGCCGCTCTACCTATAGAAAAATTTCCGGATAGATATAAATACACAAGGAAAACTGAATA

22,680



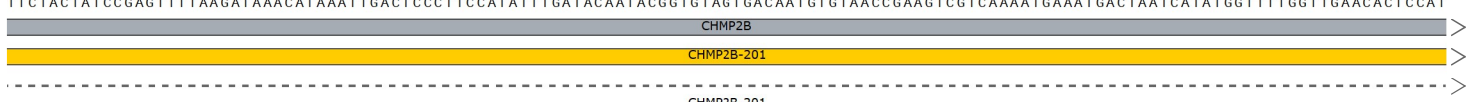
TGAAAAATGGAAATGACTGAAGAAATGAGTAAGTTAATAAATATAATGAAATTTATAGTTTTCTCATCTTTGAAATAGCCATTTATTTACTATGTCTCATATTCTCATTACGAAAGGCAGAAATGATGAAACCA  
ACTTTTACCCTTACTGACTTCTTTACTCATTCAAATTTATTAATATTACTTTAAATATCAAAAGAGTAGAACTAATCGGTAATAAATGATACAGAGTATAAAGTAAGTGCTTCCGCTCTTACTACTTTGGT

22,815



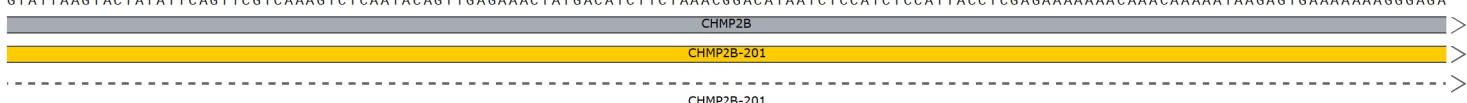
AAGATGATAGGCTCAAAATTTCTATTTGATTTAACTGAGGGAAGGTATAAACTATGTTATGCCACATCACTGTTACACATTTGGCTTTCAGCAGTTTTACTTTACTGATTAGTATACAAAACCACTTGTGAGGTA  
TTCTACTATCCGAGTTTAAAGATAACATAAATGACTCCCTTCCATATTTGATACAATACGGTGTAGTGACAAATGTTAACCAGAGCTGCAAAATGAAATGACTAATCATATGGTTTTGGTTGAACACTCCAT

22,950



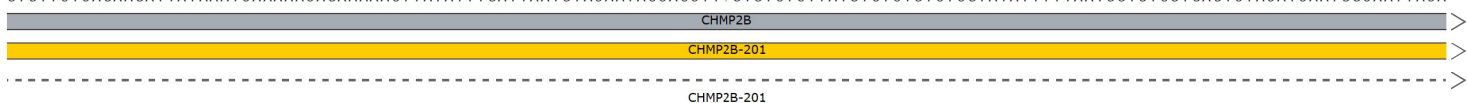
CATAATTCATGATATAAGTCAAGCAGTTTCAGAGTTATGTCAACTCTTTGATACTGTAGAAGATTTGCCGTATTAGAGGTAGAGGTAATGGAGCTCTTTTTTGTGTTTTTATTCTCACTTTTTTCCCTCT  
GTATTAAGTACTATATTCAGTTCGTCAAAAGTCTCAATACAGTTGAGAAACTATGACATCTTCAAACGACATAATCTCCATCTCCATTACCCTCGAGAAAAAACAAACAAAAATAAGAGTGAAAAAAGGGAGA

23,085



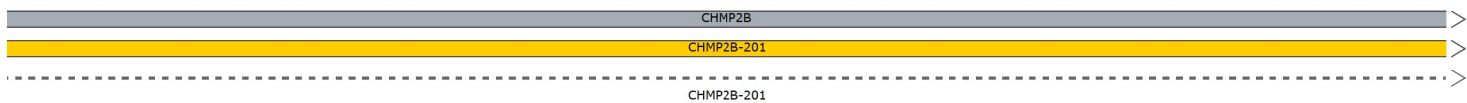
CACAAGAGTCTTCTAATATTTAAGTTTTGCTTTTTGAAATATAAACTAATTACATGTTATGGTGGAAACACAGAGAATACAGAGACAGAGCATATAAAAATACCACAGCACTCAGATGTAGTTACCGTTAATGT  
GTGTTCTCAGAAGATTATAAATCAAAAACAGAAAACTTATATTGATTAATGTACAATACCCTTTGTGCTCTTATGTCTCTGTCTGTATATTTTTAATGGTGTGCTGAGTCTACATCAATGGCAATTACA

23,220



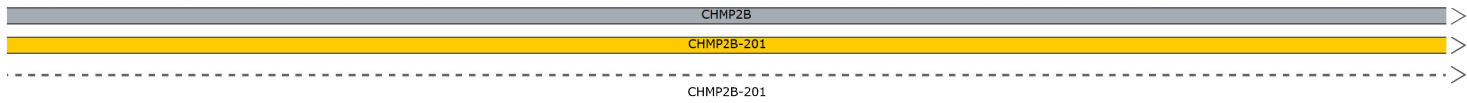
TGTATGTTTTATTTCTGTTTTTTCTCATAATCTTGATCTACAAAAGTGAATACACCTTACATGTACAATTTAATGATATCTTGCTTTTTAAAAACATAATAGTATAACATAAGCAGATACTCATGACCTTGACAT  
ACATACAAATAAAGACAAAAAAGAGTATTAGAAGTATGTTTTCACTCTAGTGGAAATGTACATGTTAATACTTATAGAACGAAAAATTTTTGATTTATCATATTGATTTCGCTCATGAGTACTGGAAGTACTGTA

23,355



TAAATCTTCTCTGAAGTCTTTTTAAAAAATAGCTTTAATATCATTTAACATCAGTATACCCTAGTTTATCAAACCTTCTTATGTTGGTCAATAAGATTGTTGTAATAATTTAACGTGTTTGATAATCCTTTGA  
ATTTAGAAGAGACTTCAGAAAAATTTTTATCGAAATATAGTAAATGTAGTATATGTTGATCAATAGTTTGGTAAAGATCAACCAGTTATTCTAACACATTTTTAAAAATGACAAAACTATTAGGAACT

23,490



AAAAATGTGTAAGTATTATCTTTGACTGAATTTCTTAAATCTCCTCAGAAATTTAACTTTTATAAGGCTGTTGGTTTGACTACCAATCTTTCCGGAAGACTACACCAATTTTATTTACCAATAATGAATG  
TTTTATACACATTCATAATAGAACTGACTTAAAGAATTTAGAGGAGTCTTATAATTGAAATATTCGACACCAACCATGATGGTTAAGAAAGGCTTCTGATGTGGTTAAAAATAAAGTGGTTATTACTTAC

23,625

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACCGACCTTCATAGCACCTCGTCAACATTAGATTATTGCTTATATTATGTCAAAACTGACATCATTGTTTGAAGATGTTTTCTAAATGTTTTACAACATAAAAAATGAAAAATAGAAAAATTAATGTT  
TGGCTGGGAAGTATCGTGGGAGCAGTTGTAATCTAATAACGAATAAATACAGTTTTGACTGTAGTAACAAAACTTTCATACAAAAGATTTACAAAATGTTGATATTTTTACTTTTTATCTTTAATTTACAA

23,760

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTACAACATGTAGGGATATACAGTTTAGCTTATCTGCTATCATTTTTAGTTAACAGCATTTAATAACATTTAGTGTATAAAAATAGTATCTAATTAAGTTACCAGGGTTAATAAACTCATTGTTCTAGTA  
AATGTTGATACATCCCTATATGGTCAAACGAAACGAATAGACGATAGTAAAAATCAATGTCGTAATATTGTAATCAGTATTTTATCATAGATTAATTCAATGGTCCCAATTATTGAGTAACAAGATCAT

23,895

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCTATTTACGTATACCTATTTTTATTCTTGGTTGTAATAACTGTATGTTTATCTTTGGCAGCTCCAAAAGTTCTGTAGTTTTACTTCAGGCCTTAGTTTGAAAACATAGATTTTTTCAGGTTGTTGAAG  
AAGATAAAGTCATATGGATAAAAAAAGAACCAACATTATTATGACATACAAAATAGAAACCGTCGAGGTTTTCAAGACATCAAAAATGAAGTCGGAAATCAAACCTTTTGATACTCAAAAAAGTCCAAACCTTC

24,030

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATCATCAATGATTTTTAATGACTGAGAGAATTTGTTATTTATATAATGATCTTAGTACTTAAACATGTTGGTTTCCAATGCCAGTGATGGCAGTTCTCAGCAGAGAAATTAACTTTTCCATTAAAGCTATAATGAAA  
GTAGTAGTTACTAAAAAATTAAGTCTCTTAAACAATAAATATTTACTAGAATCATGAATGTGACACCAAAGTTACGGTCACTACCGTCAAGAGTCGTCTCTTTAATGAAAAGGTAATTCGATATTACTTT

24,165

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGAATCAATAACCTTACTTAATCAGATATCTATAATACCTACTGCAGTTGTTCTCATTGTTATTTAAATACATTACAAGTTAGTCTGTAATAAATTAATGCATAGCAAGTTAGTCTGTAGTATAATAGTAGT  
TCTTAGTTATTGGGAATGAATTAGTCTATAGATATTATGGATGACGTCAACAAGAGTAAACATAAAAATATGTAATGTTCAATCAGACATTATATAAATTACGTATCGTTCAATCAGACATCATATTATCATCA

24,300

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TATTGATGGTACTCATTTTTTAATAACGTAGTAAATACACTAACAATTTTTATCCAAAAATAAATCAAGGTGTAATCAGCATATCTTTTTCAACTTGGAAATTTATATTCTGCCATGTTGCTCCAAAGC  
ATAACTACCAATGAGTAAAAAATATTGTCATCATTATGTCATTGTTATAAAAAGTAGGTTTTATTTAAGTCCACATTAGTCGTATAGAAAAAGTTGAACCTTAAATATAAGACGGTACAACGAGGTTTCG

24,435

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTGTTACAGTTAAGACACAAGATCGTTGGGAAATCTTACTATACCTCTGATGAGCATTATTACACTTTTTCTGAAAGCATTCTCTTGTGTAGTCTGATTACACCTTTCTAATCTTTTTCTTCTATCTACTT  
AACAAAGTGTCAATTCGTGTTCTAGCAACCTTTAGAATATGATATGGAGACTCTCGTAATAATGTGAAAAAGACTTTCGTAAGAAGAAACATCAGACTAATGTGAAAAGATTAGAAAAAGGATAGATGAA

24,570

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATTCATTTTTTTTTCTGCAACTACTACTTTACTTATACTTATAAACTCTGCATGACCTGGACTTTGCATCTCTGTATTACTTTGCTAAGTTACATCTGAGTAACATACCGGAAATTTATTTTTCCAGAG  
GTAAGTAAAAAAGACGTTGATGATGAAATGAATATGAATTTGAGACGTACTGGACCTGAACCTGAGAGGACATAATGAAACGATTCAATGTAGACTCATTGTATGGCGCTTTAATAAAAAAGGCTCTC

24,705

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCTTACCTTTGAGCATAATTGACTAAATTCCTTTAGGGGTTTTCTGCTTACTACAAAAATAAAATCCCAAATTTTAAATAAAAAGACAAGAAAGAAATTTAGCTTATGAAACATCTTCAGTTTATACCCTAGATG  
CGAATGAAACTCGTATAACTGATTTAAGGAAATCCCAAAAGACGAATGATGTTTTATTTAGGGGTTTAAATTTATTTCTGTTCTCTCTCATAAATCGAATACTTTGTAGAAAGTCAAATATGGGATCTAC

24,840

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACTGACTACCTTATGTGACATTTCCAGGGAGTCATGGCTCATAGATTATAGGTTTGTACTATAGCACTCTAAACAGGACACCTGGTAGGAGCATTGCATAGACAAGGACTCTCTTGTAGTAAATATTAAG  
TGACTGATGGAATACACTGTAAGGTCCTCAGTACCAGATCTAATATCAAACAATGATATCGTCAGGATTTGGTCTGTGGGACCATCTCGTAACGTATCTGTTCTGAGAGAACGATCATTATAATTC

24,975

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201



CCTATTTGCCAGGAGCCCCAGTTACCAACATGATTACAAGGAAATCACACTAGGTTACCTGTCTTTCTGGGGACATTCGCCAGATACCAGGAGGAACAATTTTAGCTAGCTGCTTTAATTTTTTTTT  
GGATAACCGTCTCGGGGTCAATGGTTGTAATAATGTTCTTTAGTGTGATCCAATGGACAGAAAGAAAAGACCCCTGTAAGGGGTCTATGGTCTCTCTTGTAAAAATCCGATCGACGAAATTAACAAAAA

25,110

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTTCTCCAGACATTTGCCATTTATGTACCTTAAATAACAACCAACAGAGAAGCTTATTCCTTCTGCTTGTGTCCCTGTGCTCACAGTGACTTTGCCAGGCCATTCCATTTATGTATCTCTGTGTGGTT  
AAAAGAGGGTCTGTAACGGTAAATACATGGAATTTATTGTTGGTTGTCTTCTTGAATAAGGAAAGAACGAACACAGGGACACGGAGTGTCACTGAAACGGGTCCGGTAAGGTAATACATAGAGACACACAA

25,245

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAACCCCTACGTATCCTTGCAGATTACTTACATGTAACCTTCTCCAGTTGGATGTGATCTCCTTCTGAAACTTTATAATCATTTATCTTTTCTTACACAATCTGTTTCTTAATTTTTTCTTTTATAC  
TTTGGGATGCATAGGAACGGTCTAATGAAGTGTACATTGAAGGAGGGTCAACCTACTAGAGGAAGAGACTTTGAAATATTAGTAAATAGAAAAGAGAATGGTGTAGACAAAAGAAATTAACAAAAAGAAATATG

25,380

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCAAGTGTCAACTACCCGAGGTCCTTTGTTTTCTCCGTCTATATACCCATTGTATTATATTGCATTTCAAGGCACTAGATGCCAAGATTCAAAGATAAAAAAGACATAATCTCAATCCATCAAAAATTGCTTCC  
AGTTCACAGTTGATGGCTCCAGAAACAAAAGAGGCAGATATATGGTAAACATAAAATTAACGTAAGTCCGGTATCTACGGTCTAAGTTCATTTTTCTGTATTAGAGTTAGGTAGTTTTTAACGAAGG

25,515

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCACAACCTCAACATGATGCATTCTATACAGAGTGCCTTCAATAAATTTTTGGGGAGGGAAGAGAGGTAGAAAAGTTGTAGCAGTAATAATCCTGTAAATCGGACATCATTCTTTGGGCAATTTAATAAAAT  
GGTGTGAGTTGTACTACGTAAGATATGTCTACGAAAGTTATTTATAAAACCCCTCCCTTCTCTCCATCTTTTCCAACATCGTCAATATTAGGACAAATTTAGCCTGTAGTAAAGAAACCCGTTTAAATATTTTTA

25,650

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTGAACCTTAGATTTCTCTAGAAATTTCTACCTGTATCTTGAATGTAATTTAAGAGGTATAAAAAATGATTATAGATATAAAAAGAGTAAATCGTTTTCCAGATATTAAACAGGATATTTATTCTTGCATATT  
TAACCTTGAATCTAAAGAGATCTTATAAGATGGACATAGAACTTACATTTAAATTTCTCCATTTTTTAACTAAATCTATATTTTTCTCATTTAGCAAAGGTCTATAAATTGCTCTATAAATAAGAACGTATAA

25,785

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTTCTCTACTAGCTTAATGGATACAATTTGTGAATAATATTTAAAAATCTTAACATGTAGCTGTGACTATCACATTTTTTGTCTATTAGAATTAATTTTTTAAAAAGAGTAGACTTGTGGCTATAAGAT  
GAAGGAGATGATCGAATTACCTATGTTAAACACTTTATTATAAATTTTTAGAAATTTGTACATCGACACTGATAGTGTAAAAAACAGATAATCTTAATAAAAATTTTTTCTCATCTGAACAAACGATATTCTA

25,920

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTTGTGTGAAATGAACATTTATCCAGATTTAATGGCTCAAAATATGATTTATCAATTTACTTCACTGACATTTTGAAGGATTTTTTTAGTTTGTTCAGTGGTTGCCCTCTGTAATATACAAAATAGTTGG  
TTAAACACAACCTTACTTGTAAATAAGGTCTAAATACCGAGTTTATACATAAATAGTTAAATGAAGTGACTGTAAACTTCTAAAAAATCAAAACAAGTGACTCAAACGGAAGACATTATATGTTTTATCAACC

26,055

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCTAGACTGTAATATGTAAGTCTAACCTGAAGTTTGTGTTGAAAGTAACTGCTTTGCTCCTTCTCCCATATCCCTAGTCAATGATACACTTGTGACATCTTTGACGGTTCTGATGACGAAGAAGAAAGCCAGG  
CGATCTGACATTTATACATTAGATTGGACTTCAAACAAACTTTCATTGACGAAACGAGGAAGAGGGTATAGGGGATCAGTTACTATGTGAACACTGTAGAACCTGCCAAGACTACTGCTTCTCTTTCCGGTCC

26,190

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

145 150 155 160  
I N D T L D D I F D G S D D E E S Q  
ENSE00001209407

ATATTGTGAATCAAGTCTTGTGATGAAATGGAATGAAATTTCTGAAAGGTATGAACATCATCTTTCTTAGTTGGAATAGTTTCTGCCTACCAGTTTGTCACTTAATTGTTTTGTTTTACTAGGAGGTGC  
TATAACACTTAGTTCAAGAACTACTTTAACCTTAACTTTAAAGACCTTTCATACTTGTAGTAGAAAAGAAATCAACCTTTATCAAAGACGGATGGTGAACAGTGAATTAACAAAACAAAATGATCCTCCAGC

26,325

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

165 170 175  
D I V N Q V L D E I G I E I S G K  
ENSE00001209407

ATGGTTTTTATTCTGTTTCAAAGGAAATTAACAGACCTCTTTACAGCACATCCTGTATGTCTTGTCCAATGTTTCCTAATGCACGTTTGTCTTTTTTCATTGTTTAAATATAGATGGCCAAAGCTCCATCAG  
TACCAAAAATAAAGACAAAGTTTTTCATTTAATTTGTCTGGAGAAATGTCTGTAGGACATACAGGATCAGGTTTACAAAGGATACGTGCAACAGAAAAGTAACAAATATATCTACCGGTTTCCGAGGTAGTC

26,460

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

180  
M A K A P S  
ENSE00001945124



CTGCTCGAAGCTTACCATCTGCCCTCTACTTCAAAGGCTCAACATCTCAGATGAAGAGATTGAACGGCAACTCAAGGCTTTAGGAGTAGATTAGTCAAAAAGAAAGTCATACTATTTTCTTACTTATAAATATGTAGT  
GACGAGCTTCGAATGGTAGACGGAGATGAAGTTTCCGATGTTAGAGTCTACTTCTCTAACTTGCCTTGAAGTTCCGAAATCCTCATCTAATCAGTTTTCTTTCAGTAGATAAAACGAATGAATTAATACATCA

26,595

CHMP2B

CHMP2B-201

A 185 R S L P S A S T S K A T I S D E E I E 205 R Q L K A L G V D 210  
ENSE00001945124  
CHMP2B-201

ATAAACCAAGCACAGTGCAGATTTCTTTACAAAACACATGTATTTTGCAAAAAATAAATAAAGACCATTGAGTGAACAGTTGTTTCTAACCCATGGCTATTTAGAATCTTTTGCCAAAAGAAATGACAATGA  
TATTTGGTTCGTGTCACGTCTAAAGAAAATGTTTTGTGTACATAAAACGTTTTTTTTTTTTTACTTCTGGTACTCACTTGTCAACAAAGGATTTGGTACCGATAAATCTTAGAAAACGGTTTCTACTGTTACT

26,730

CHMP2B

CHMP2B-201

TGCAAAAATGGGAACAGTTTGGATTTAATTTAGAACTGTTTAGGAGTGTATGTGTAAAAAGTTGACTTCTCTTTTGCATGGCACAGAGAAAATATATTCCTTACTTCATGTCAGTTTATGTTCTAAATCTTTT  
ACGTTTTTACCTTGTCAAACTAAAATTAATCTTGACAAATCCTCACTACTACACATTTTTCAACTGAAGAGAAAACGTACCGTGCTCTTTAATAAAGGAATGAAGTACAGTCAAATACAAGATTAGAAAA

26,865

CHMP2B

CHMP2B-201

TCACTGAATATAAAAATCTTGTAAATGCCATTAGGCACCAACTTAAAGAGGGTTGTA AAAAATATTA AAAAGTATATCGTTAATCTGTATCTGTGCTTGTCTTTTGTAAAGTATTATGTGTTATGACCATAGGT  
AGTGACTTATTTTTAGAACAAITACGGTAATCCGGTGAATTTCTCCAACATTTTTATAATTTTCATATAGCAATTAAGACATAGACAACGAACAGAAAACATTCCTAATAACAATACTGGTATCCA

27,000

CHMP2B

CHMP2B-201

GGTTACAGCTGCCAAATTTTTTAAATGGTCAAAAAGAGAGTGTATTTAAACATCTGTCTTAAACAAAACTGTCAATACTTTTCTTTTTCTTTTTCCATTAGGAGAACATCTAGTTGGTAAATTTCAA  
CCAATGTCGACGGTTAATAAAAATTTACCAGTTTTCTTCTCAGGATAAATTTGTAGACAGAAATTTGTTTTGACAGTATTGAAAAGAAAAAGAAAAAGTAATCCTCTTGTAAGATCAACCATTTAAAGTTT

27,135

CHMP2B

CHMP2B-201

ATGTGCTTGACACCTGCCTTAAATAGCACAGACCTATTGTGCACATCTTTAAATTTTTTCAGCTGGCAGAAAAGAAATTACATTTAAAACAGAAATCAAGGCCCAATACAAGATTATCCTGGCTCTTTTCTATC  
TACACGAACGTGGACGGAATTTATCGTGTCTGGATAACACGTGTAGAAATTTAATAAAGTCGACCGTCTTTCTTAATGTAATTTTGTACTTTAGTCCGGAGTTATGTTTCTAATAGGACCGAGAAAAGATAG

27,270

CHMP2B

CHMP2B-201

TCTGTGGCCCTAATTGAAATATGTA CTCTATTTTAGACACGCCTCTGTTAAAACAGACCAGGTTTTCTGGTCTCAGACCTATGATGACTTGTCCCTTTGATGTCACACTGTGAATTGAATATAATTAGTAAA  
AGACACCCGGATTAACCTTATACATGAGAATAAAATCTGTGCGGAGACAAATTTGTCTGGTCCAAAAGGACCAAGAGTCTGGATACTACTGAACAGGGAACACAGTGTGACACTTAACTTATATTAATCATT

27,405

CHMP2B

CHMP2B-201

AATAGACGATGAATAAATAACACTTTATAGTAAGAAAACAATATATTTGGCCATCTAAAATGAGAATTTAATTTATGAATTTAATTTAAACTGTTTAAATTTGTTAATGTGTATATTGAATCTTCCAAA  
TTATCTGCTACTTATTTATGTAATATCACTCTTTGTTATATAAAACCGGTAGATTTTACTCTTAATATTAATACTTAATATAAATTTGACAAATTAACAAATTAACACATAAATAGAGGTTT

27,540

CHMP2B

CHMP2B-201

TTGAAGCCATTATTCTCAATTAAGTACTACAACATGACAATGCTTACCTACATTTTCTAAAATAAAAATTTACATTTTTTGATAAATAAACTACAGTTTTACCAGAAATTACTACTAAATGTGATTAGCAGT  
AACTTCGGTAATAAGAGTTAATTCATGATGTTGATACTGTTACGAACTGGATGTAAAGATTTATTTTTAAGTGAAAAAATCTTTATTTGATGCAAAATGGTCTTTAATGATAGATTTACACATAATCGTCA

27,675

CHMP2B

CHMP2B-201

ATTTTTAAGGTGAAATGCCTTGGTATCTAATGAATGTGTAGACAGGGAGATAAAAAGAAAGATTGCCAGACTAGTTAGAATAGAATTTAGGATTAGGTTAGTTTTGAAAAATGATGTTGTAATATATGGGTTT  
TAAAAATCCACTTTAACGGAAACCATAGATTACTTACACATCTGTCCCTCTATTTTACTTCTCAACGGTCTGATCAATCTTATCTTAAATCTTAATCCAATCAAACCTTTTACTACAACATTTATATCCCAAG

27,810

CHMP2B

CHMP2B-201

TAACACATCTACCATAAAAACCTGGAGGAGATATGTGTAACCTGGTTAATTTGGGATGGTGGACATTTTGGGCTAATACTGACAAAATACATCTTAGGACTAGTATACATGTGACACGGATTGCTAGGAGGAATG  
ATTGTGATAGGATGGTATTTTGAACCTCTCTATACACATTTGACCAATTAACCCCTACCACCTGTAAAACCGGATTATGACTGTTTTATGTAGAAATCCTGATCATATGTACACTGTGCTTACGATCCTCTTAC

27,945

CHMP2B

CHMP2B-201

AAAACTAAACTGTATAGTTTATATCCGTAACCACTTTTATAATGTCAAAGATTAGGTTTTGTTATTGATAGTATTAATAACACAGTTTCTCTTAAACAGTGATGGGTGAAAACATTTTACCAGGATTATGGAAT  
TTTTTGATTTGACATATCAAATATAAGGCATTTGGTAAAATATTACAAGTTTCTAATCCAAAACAATAACTATCATAATTTATGTGTCAAAGAGAATTTGCACTACCCACTTTTGTAAAATGGCCTAATACCTTA

28,080

CHMP2B

CHMP2B-201

GTTTACCAGAACATGTTTTGATTCTTGAATGTACATAAATAAGCCATCTAACTTATTTACGTTCTTGTTTACATGTGGGAGCTTTTGTTCAAAAATATTTTTGTTAAAAAATCTCAATAAAGATTTATTTATG  
CAAAATGGTCTGTACAAAACTAAGAACTTACATGTATTATTACGGTAGATTGAATAAATGCAAGAACAATGTACACCTCGAAAACAAAAGTTTTAATAAAAACAATTTTTAGAGTTATTTCTAAATAATAAC

28,215

CHMP2B

CHMP2B-201

TTGTCTTTTCTTACCTTTTTGCTCTTTTGGTTCCTGCTAAAATTA AAAATTTTATGCATATTTGGTAA  
AACAAGAAAAGAAATGAAAAAACGAGAAAAACCAAGGACGATTTAATTTTTAAAATACGTATAAACCAAT

3'

28,286

5'

CHMP2B

CHMP2B-201

Feature	Location	Size	Start	End	Strand	Type
<b>CHMP2B</b>	1 .. 28,286	28,286 bp			→	gene
/note	= gene <a href="#">ENSG00000083937</a> Protein coding					
<b>CHMP2B-203</b>	1 .. 28,278	28,278 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000471660</a>					
<b>CHMP2B-208</b>	15 .. 28,145	28,131 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000677929</a> Retained intron					
<b>CHMP2B-205</b>	32 .. 26,954	26,923 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000494980</a>					
<b>CHMP2B-201</b>	39 .. 28,286	28,248 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000263780</a>					
<b>CHMP2B-204</b>	39 .. 28,216	28,178 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000472024</a>					
<b>CHMP2B-206</b>	42 .. 28,216	28,175 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000676705</a>					
<b>CHMP2B-210</b>	57 .. 28,145	28,089 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000678859</a> Retained intron					
<b>CHMP2B-207</b>	100 .. 19,461	19,362 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000676947</a> Retained intron					
<b>CHMP2B-201</b>	253 .. 26,552	26,300 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 642 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000263780</a>					
/translation	= MASLFKKTVD,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 213 amino acids = 23.9 kDa					
<b>CHMP2B-205</b>	253 .. 26,552	26,300 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 552 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000418920</a>					
/translation	= MASLFKKTVD,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTF,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 183 amino acids = 20.8 kDa					
<b>CHMP2B-203</b>	284 .. 26,552	26,269 bp			→	CDS
▶ 5 segments = 519 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000419998</a>					
/translation	= M,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 172 amino acids = 19.1 kDa					
<b>CHMP2B-209</b>	12,122 .. 19,765	7644 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000678818</a>					
<b>CHMP2B-204</b>	13,102 .. 26,552	13,451 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 690 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000480032</a>					
/translation	= MISAQRNHHLPSDDSSSTSA YRVARIT,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 229 amino acids = 25.6 kDa					
<b>CHMP2B-206</b>	13,102 .. 26,552	13,451 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 690 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000504098</a>					
/translation	= MISAQRNHHLPSDDSSSTSA YRVARIT,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 229 amino acids = 25.6 kDa					
<b>Donor Template WT -&gt; SNVs (n=2)</b>	13,436 .. 13,522	87 bp			↔	misc_feature
<b>Protospacer Sequence</b>	13,451 .. 13,470	20 bp			↔	misc_feature
<b>SNV synonymous</b>	13,469 .. 13,469	1 bp			↔	misc_feature
/note	= WT=G SNV Silient = A					
<b>PAM</b>	13,471 .. 13,473	3 bp			↔	misc_feature
<b>SNV Nonsynonymous</b>	13,479 .. 13,479	1 bp			↔	misc_feature
/note	= WT=A SNV=G (amino acid change)					
<b>CHMP2B-202</b>	25,779 .. 26,643	865 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000466696</a> Retained intron					

Primer	Length	Binding Sites	Tm	Date Added
✓ <b>PCR Reverse</b>	20-mer	13,317 .. 13,336	→ 59°C	Jun 15, 2022
/sequence	=	gcgcccagccAAATATAAGAT 50% GC / 6095.0 Da		
✓ <b>Donor Template WT -&gt; SNVs (n=2)</b>	87-mer	13,436 .. 13,522	→ 71°C	Jun 15, 2022
/sequence	=	AAAGGAACAGAATCGAGAGTTACGAGGTACACAAAAGGGCTATAGTCAGAGATCGAGCAGCTTTAGAGAAACAAGAAAAACAGCTGGT 43% GC / 27,141.8 Da		
✓ <b>gRNA Protospacer</b>	20-mer	13,451 .. 13,470	→ 53°C	Jun 15, 2022
/sequence	=	AGAGTTACGAGGTACACAGA 45% GC / 6199.1 Da		
✓ <b>PCR Forward</b>	25-mer	13,696 .. 13,720	← 56°C	Jun 15, 2022
/sequence	=	CACAGAATCCCAATAAAAAGTCAGCA 40% GC / 7621.1 Da		
✓ <b>Sanger Sequencing Primer</b>	25-mer	13,696 .. 13,720	← 56°C	Jun 15, 2022
/sequence	=	CACAGAATCCCAATAAAAAGTCAGCA 40% GC / 7621.1 Da		